

Agricultura Ganadería Pesca Medio Ambiente Agro Alimentarias Comercio Agentes Sectoriales Mecanización Opiniones Ayudas Servicios

Actualidad Agraria Laboratorio agrícola Biblioteca Agraria

INICIO Agricultura Laboratorio agrícola

31-5-2012 SINC

Los resultados de este estudio, portada de la revista Nature, son la conclusión de un trabajo entre instituciones de diversos países que comenzó en 2004

Un proyecto internacional descifra al completo el mapa genético del tomate

Un consorcio internacional ha comparado el material genético del tomate doméstico, el silvestre y la patata, tres especies del mismo género. Los científicos han descubierto que los genes repetidos del tomate explicarían algunas de sus características y su proceso evolutivo, incluso su supervivencia a las grandes extinciones.

0

Twitter 8

Me gusta 1

Una investigación internacional, en la que participan científicos españoles y argentinos entre otros 11 países, ha completado la secuenciación del genoma del tomate de cultivo (*Solanum lycopersicum*) y la de su pariente silvestre (*S. pimpinellifolium*).

Los resultados de este trabajo demuestran que los genomas de ambos solo divergen un 0,6%, mientras que la divergencia con la patata (*Solanum tuberosum*) es de más del 8%. El trabajo, en el que han trabajado más de 300 científicos de 13 países, es portada de la revista Nature.

El tomate podría haber sobrevivido a las grandes extinciones gracias a las triplicaciones de su genoma

Según los autores los genes repetidos que han encontrado explicarían algunas propiedades de su piel. "El tomate es una de las plantas de cultivo más comunes y con mayor explotación. Conocer su genoma al detalle nos permite entender mejor la evolución de las plantas superiores y ofrece nuevas herramientas para la agricultura en el futuro", explica el investigador Francisco Cámara, del Centro de

Regulación Genómica (CRG).

Según los científicos las diferencias entre el genoma del tomate doméstico, el silvestre y la patata son debidos a que durante la evolución, se han invertido y repetido fragmentos largos del genoma.

El análisis del contenido genético del tomate indica que este sufrió varias triplicaciones consecutivas hace unos 60 millones de años. Según el investigador del Instituto de Biología Molecular y Celular de Plantas Primo Yúfera (centro mixto del CSIC y la Universidad Politécnica de Valencia) Antonio Granell, que ha dirigido la parte española del trabajo, "este hecho podría haber salvado al tomate de la última gran extinción masiva" que acabó con el 75% de las especies del planeta, entre las que se incluyen los dinosaurios.

Estas reorganizaciones explicarían cambios evolutivos que sucedieron hace millones de años y que contribuyeron a la aparición de nuevas especies de plantas con frutos y a su diversificación. Además, algunos de los fragmentos repetidos incluyen genes que serían responsables de algunas propiedades del tomate, como, por ejemplo, la formación de una piel más resistente para conservar mejor el fruto.

Devolver los beneficios a la sociedad

"La identificación de genes es el primer paso para convertir la secuencia del genoma de una especie en información relevante desde el punto de vista biológico", añade Roderic Guigó, del laboratorio de Bioinformática y Genómica del CRG. La aportación de su laboratorio a este estudio ha consistido en el desarrollo de un software para la detección de genes.

El proyecto se ha llevado a cabo por un consorcio internacional y pretende ofrecer el genoma del tomate a grupos de investigación públicos y privados para mejorar conocimiento de la biología de este vegetal, esencial en la agricultura.

Versiones previas de la secuencia han estado disponibles desde hace más de un año en una página web de acceso público. Antonio Granell, del CSIC, destaca la importancia de "difundir este tipo de avances lo antes posible, sobre todo cuando se trata de investigaciones públicas, de forma que se puedan devolver los beneficios a la sociedad cuanto antes".

Dentro del consorcio internacional de investigadores, la participación española se centró en la secuenciación del cromosoma 9 y en la introducción de nuevas tecnologías de secuenciación. También han participado investigadores del Instituto de Hortofruticultura Subtropical y Mediterránea La Mayora (centro mixto del CSIC y la Universidad de Málaga) y las empresas Genome Bioinformatics y Sistemas Genómicos. Por parte argentina ha participado en el proyecto el Laboratorio de Genómica Estructural y Funcional de Solanáceas del Instituto de Biotecnología del Instituto Nacional de Tecnología Agropecuaria (INTA).

Referencia bibliográfica:

The tomato genome consortium. "The tomato genome sequence provides insights into fleshy fruit evolution" *Nature*. Mayo de 2012. DOI: [doi:10.1038/nature11119](https://doi.org/10.1038/nature11119)

Fuentes: [Agencia SINC](#) - [CONICET](#)



"The tomato genome consortium" secuencia el genoma del tomate

• Universidad de Nottingham

Un consorcio internacional ha comparado el material genético del tomate doméstico, el silvestre y la patata, tres especies del mismo género. Los científicos han descubierto que los genes repetidos del tomate explicarían algunas de sus características y su proceso evolutivo, incluso su supervivencia a las grandes extinciones. En la imagen: profesores Graham Seymour y Gerard Bishop en un invernadero

Se han producido los siguientes errores de programa

■ **Aviso [8]** en getNavegador => línea 997