

Mira esto: [Las mejores fotogalerías](#) | [Temas T.I.](#) | [Últimos vídeos](#)

Salud

Portada	España	Mundo	Política	Dinero	Deportes	El Tiempo	Salud	Sucesos	Tierra	C
Ocio										
Gente	Tele	Música	Cine	Cultura	Increíble	Moda	Belleza	Players		
Y Además										

Investigadores españoles descubren un nuevo gen implicado en la hipertensión

Hace 7 minutos - EUROPA PRESS, BARCELONA

Investigadores del Centro de Regulación Genómica (CRG) de Barcelona, junto con la Universidad de Nantes y otros centros de investigación franceses, han descubierto un nuevo gen implicado en la hipertensión hereditaria por altos niveles de potasio en sangre.

Me gusta

Twitter 

0

Deja tu comentario



ÚLTIMA HORA

[Investigadores](#)

El trabajo, que publica 'Nature Genetics', revela que la molécula descubierta, KLHL3, es la "responsable" de que el riñón no efectúe bien el intercambio de iones de potasio y la culpable de que la proteína se acumule

españoles descubren un nuevo gen implicado en la hipertensión

Identifican una nueva diana terapéutica para las enfermedades del riñón

Un nuevo hallazgo podría reducir los efectos secundarios de la quimioterapia

Valdecilla registra una tasa de supervivencia del 100% en los pacientes con trasplante de páncreas desde 2006

en la sangre.

En declaraciones a Europa Press, el coordinador del programa Genes y Enfermedad del CRG, Xavier Estivill, ha explicado que para la investigación se exploró inicialmente la totalidad del genoma en sujetos de dos familias con dicha dolencia a través de la secuenciación informática de todas las variables y se observó que compartían mutaciones en el gen KLHL3.

Después de ampliar el estudio a más familias con la misma patología, se confirmó que el gen estaba mutado en la mayoría de los casos, y tras comparar los genomas con los de personas con hipertensión no hereditaria se demostró que las mutaciones son específicas de personas con síndrome de Gordon.

La medicina genómica, ha dicho Estivill, permite hacer investigaciones a ciegas sin hipótesis previas y en este caso el estudio ha permitido identificar nuevas piezas que "no pensaban" que participaban en la función del riñón y el intercambio de iones, culpables de este tipo de hipertensión.

La identificación de las moléculas causantes de una patología a partir de "familias raras de la enfermedad", que afectan a un número reducido de personas, abre vías para un futuro fármaco y para avances en la enfermedad común ya que aporta información sobre la biología de la dolencia.

AVANCE SIGNIFICATIVO

Estivill compara este avance en investigación a partir de familias raras con las mejoras en el tratamiento del Alzheimer que supuso el descubrimiento del gen APP, que afectaba sólo a una parte de los enfermos.

Además, el coste económico es mucho menor, ya que secuenciar el genoma humano costó en su momento 3.000 millones de euros y actualmente analizar el genoma de un solo sujeto supone unos 1.000 euros.

Seguir la pista a estos "experimentos" de la naturaleza supone una gran ventaja y es una área de investigación que de debe apoyar y potenciar, ha dicho el investigador del CRG.

Me gusta

Twitter 

0

Deja tu comentario

OTRAS NOTICIAS

Arranca la Semana Mundial del Cerebro que organiza la Academia de Medicina de la Región de Murcia

El Hospital Reina Sofía (Córdoba) ha realizado esta semana siete trasplantes de órganos y cuatro de tejidos

El programa Play for Health, finalista de los premios @asLAN

Hospital Viamed Los Manzanos organiza un Curso de Electrocardiografía Básica

o COMENTARIOS

DEJA TU COMENTARIO

Comenta *

Nombre de usuario *

Email *

* Campos obligatorios

 He leído y acepto las [normas de uso](#)

Portada	España	Mundo	Política	Dinero	Deportes	El Tiempo	Salud	Sucesos	Tierra	C
Ocio										
Gente	Tele	Música	Cine	Cultura	Increíble	Moda	Belleza	Players		
Y Además										

Mira esto: [Las mejores fotogalerías](#) | [Temas T.I.](#) | [Últimos vídeos](#)

Teinteresa.es

[Declaración de intenciones](#)
[Quiénes somos](#)

Servicios

[Sorteos](#)

Síguenos en...

[Facebook](#)
[Tuenti](#)
[Twitter](#)
[Youtube](#)