



Científicos internacionales compiten para encontrar el mejor método de secuenciación genómica

Una cincuentena de científicos de todo el mundo compiten desde este martes hasta el 7 de abril en Barcelona para encontrar el mejor método computacional de secuenciación genómica, una experiencia pionera que pretende hacer avanzar las técnicas de experimentación.

BARCELONA, 5 (EUROPA PRESS) Una cincuentena de científicos de todo el mundo compiten desde este martes hasta el 7 de abril en Barcelona para encontrar el mejor método computacional de secuenciación genómica, una experiencia pionera que pretende hacer avanzar las técnicas de experimentación. En rueda de prensa, la directora general de Biocat, Montserrat Vendrell, ha explicado que estos investigadores catalanes, alemanes, rusos, ingleses, canadienses y chinos trabajarán en el modelo científico de "prueba y error" para demostrar qué modelos matemáticos son más eficientes --en coste y en tiempo-- para descifrar el genoma humano, ya que se trata de un proceso muy costoso. Para ello, la organización --el Centre de Regulació Genòmica (CRG), el Centro Nacional de Análisis Genómico (Cnag), Biocat y la Obra Social La Caixa--- dispusieron en noviembre secuencias de 100 letras y con tres meses de tiempo, y los 20 grupos de investigadores --diez de secuenciación del ADN y diez del RNA-- han combinado diversos métodos, que estos días serán probados. "No es lo mismo una solución de un millón de euros que otra de 500.000 euros", ha explicado el director del Cnag, Ivo Gut, quien ha insistido en que el hallazgo repercutirá en la mejora de la calidad de vida de los ciudadanos. La secuenciación del primer genoma costó 3.000 millones de dólares y diez años de tiempo, y según avancen las investigaciones, en cinco años será posible individualizar el genoma de cada persona, según el coordinador del programa de Bioinformática y Genómica del CRG, Roderic Guigó. Un genoma tiene 23 cromosomas --que contienen cada uno entre 250.000 millones de letras el genoma uno y 30 millones de letras el 22--, que deben ser partidos en trozos de 100 letras para poder ser analizados, y posteriormente reconstruidos, por lo que cada uno debe secuenciarse unas 70 veces para saber los puntos de empalme y su orden, como un "puzzle". Actualmente, no existe ninguna máquina capaz de secuenciar un genoma entero, sino que la tecnología permite analizar pequeños fragmentos, afrontando diversos problemas. El Cnag tiene la capacidad de analizar dos genomas humanos en 24 horas, frente al Centro de Genómica de Beijing (China) que multiplica por diez esta capacidad, alcanzando el análisis de 300 genomas diarios. No obstante, el Cnag se sitúa en segunda posición en el ranking de los mejores centros de Europa, y además cuenta con una conexión permanente con el Centro de Supercomputación MareNostrum, que analiza los datos de forma permanente. Gut ha destacado que es necesario que las ordenadores incrementen su potencial y rapidez para alcanzar velocidades de secuenciación como la china, lo que hará avanzar la biología, la medicina, la agricultura y todas las disciplinas que precisan conocer a fondo la estructura del material vivo. 20 CÉNTIMOS AL AÑO El Cnag tiene un presupuesto de 10 millones de euros anuales, lo que supone una inversión de 20 céntimos de euro por cada español en la investigación de la secuenciación genómica. "Es una pequeña aportación para una beneficio tan grande, por lo que podría aumentarse", ha dicho Gut, remarcando que además de la inversión, es importante saber repartir los recursos entre las redes que ponen en contacto médicos con pacientes e investigadores. Vendrell ha destacado que el avance en la secuenciación genómica permitirá identificar grupos de población vulnerables y afinar en los tratamientos sanitarios, lo que repercutirá positivamente en la salud de las personas y en las arcas del sistema de salud.

Sorteamos entradas para 'El pequeño grano de arena'



El nuevo montaje infantil de la compañía Mulambo se estrena este sábado en la capital y eldigitaldemadrid.es te invita a verlo.

Esta charla de gemelos es cosa seria



Djokovic juega al tenis a miles de metros de altura



hipoteca NARANJA
Sin comisiones. Sin suelo hipotecario.

Desde Euribor + 0,49
(2,63% T.A.E. *)

ING DIRECT

Contrátala aquí

Miércoles, 6 de abril de 2011 Navacerrada 19/9° Cambiar

Qué.es en PDF

Qué.es Móvil

Qué.es RSS

Qué.es Widgets

Buscar

[Portada](#)
[Noticias](#)
[Curiosas](#)
[Famosos](#)
[Ocio](#)
[Deportes](#)
[Tu economía](#)
[Ciudades](#)
[Clasificados](#)
[Más](#)

Barcelona

Ahora en portada de Qué.es

"Vídeo: Britney Spears: 'Till the world ends'"

no te lo pierdas en Qué.es

Científicos internacionales compiten para encontrar el mejor método de secuenciación genómica

Una cincuentena de científicos de todo el mundo compiten desde este martes hasta el 7 de abril en Barcelona para encontrar el mejor método computacional de secuenciación genómica, una experiencia pionera que pretende hacer avanzar las técnicas de experimentación.

5 de abril de 2011

Esta página ha sido vista 4 veces. [Entra](#) para que tus amigos sepan que la has leído.

[Recomendar](#) Sé el primero de tus amigos en recomendar esto.

[Compartir noticia](#)
[Enviar por email](#)
[Facebook](#)
[Twitter](#)
[Menéame](#)
[Ver más:](#)



BARCELONA, 5 (EUROPA PRESS)

Una cincuentena de científicos de todo el mundo compiten desde este martes hasta el 7 de abril en Barcelona para encontrar el mejor método computacional de secuenciación genómica, una experiencia pionera que pretende hacer avanzar las técnicas de experimentación.

En rueda de prensa, la directora general de Biocat, Montserrat Vendrell, ha explicado que estos investigadores catalanes, alemanes, rusos, ingleses, canadienses y chinos trabajarán en el modelo científico de "prueba y error" para demostrar qué modelos matemáticos son más eficientes --en coste y en tiempo-- para descifrar el genoma humano, ya que se trata de un proceso muy costoso.

Para ello, la organización --el Centre de Regulació Genòmica (CRG), el Centro Nacional de Análisis Genómico (Cnag), Biocat y la Obra Social La Caixa-- dispusieron en noviembre secuencias de 100 letras y con tres meses de tiempo, y los 20 grupos de investigadores --diez de secuenciación del ADN y diez del RNA-- han combinado diversos métodos, que estos días serán probados.

"No es lo mismo una solución de un millón de euros que otra de 500.000 euros", ha explicado el director del Cnag, Ivo Gut, quien ha insistido en que el hallazgo repercutirá en la mejora de la calidad de vida de los ciudadanos. La secuenciación del primer genoma costó 3.000 millones de dólares y diez años de tiempo, y según avancen las investigaciones, en cinco años será posible individualizar el genoma de cada persona, según el coordinador del programa de Bioinformática y Genómica del CRG, Roderic Guigó.

Un genoma tiene 23 cromosomas --que contienen cada uno entre 250.000 millones de letras el genoma uno y 30 millones de letras el 22--, que deben ser partidos en trozos de 100 letras para poder ser analizados, y posteriormente reconstruidos, por lo que cada uno debe secuenciarse unas 70 veces para saber los puntos de empalme y su orden, como un "puzzle".

Actualmente, no existe ninguna máquina capaz de secuenciar un genoma entero, sino que la tecnología permite analizar pequeños fragmentos, afrontando diversos problemas.

El Cnag tiene la capacidad de analizar dos genomas humanos en 24 horas, frente al Centro de Genómica de Beijing (China) que multiplica por diez esta capacidad, alcanzando el análisis de 300 genomas diarios. No obstante, el Cnag se sitúa en segunda posición en el ranking de los mejores centros de Europa, y además cuenta con una conexión permanente con el Centro de Supercomputación MareNostrum, que analiza los datos de forma permanente.

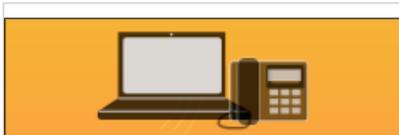
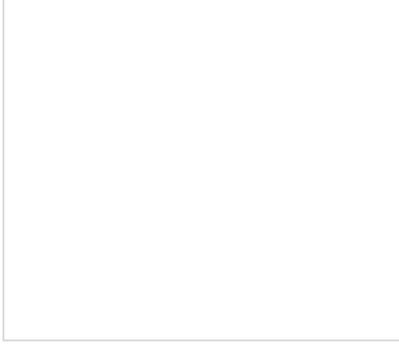
Gut ha destacado que es necesario que las ordenadores incrementen su potencial y rapidez para alcanzar velocidades de secuenciación como la china, lo que hará avanzar la biología, la medicina, la agricultura y todas las disciplinas que precisan conocer a fondo la estructura del material vivo.

20 CÉNTIMOS AL AÑO

El Cnag tiene un presupuesto de 10 millones de euros anuales, lo que supone una inversión de 20 céntimos de euro por cada español en la investigación de la secuenciación genómica.

"Es una pequeña aportación para una beneficio tan grande, por lo que podría aumentarse", ha dicho Gut, remarcando que además de la inversión, es importante saber repartir los recursos entre las redes que ponen en contacto médicos con pacientes e investigadores.

Vendrell ha destacado que el avance en la secuenciación genómica permitirá identificar grupos de población vulnerables y afinar en los tratamientos sanitarios, lo que repercutirá positivamente en la salud de las personas y



Entrar You need to be logged into Facebook to see your friends' activity

El Real Madrid pierde frente al Sporting de Gijón (0-1): ¿adiós a la Liga? -- Qué.es --

467 personas han compartido esto.

Lady GaGa denuncia al PP de Tarragona por plagiar su canción 'Alejandro' y utilizarlo en campaña --.

192 personas han compartido esto.

Piden a Delegación del Gobierno que impida una 'procesión atea' el Jueves Santo paralela a la tradic

153 personas han compartido esto.

Vídeo poltergeist YouTube: Un fantasma mueve objetos en una casa -- Qué.es --

90 personas han compartido esto.

Bienvenido a Gente | [Accede directamente si tienes cuenta en](#) | [Más información](#) | [Pulso](#) | [Entrar](#)

1 de 2

06/04/11 13:53

Cuenta **NARANJA** de ING DIRECT: 3,5% TAE y después sigue ganando todos los meses. Sin comisiones, ninguna.

Jazztel ADSL 19.95 €

Comenta esta noticia

 Escribe aquí tu comentario

Normas

Comentar

Qué.es en Facebook

Me gusta

A 15,481 personas les gusta **Qué.es**.



mini precios

aprovecha antes de que crezcan

500 inmuebles con descuentos de hasta un 50%.

bancaja habitat

www.bancajahabitat.es

Consulta los mejores anuncios clasificados y publica el tuyo **gratis** en sólo 3 pasos. Elige tu tema:

Anuncios en Barcelona

Publica tu anuncio

En Portada



Detenido el vertido de agua radiactiva del reactor de Fukushima al mar



Unos 150 inmigrantes desaparecidos tras caer al mar



Aplazan el juicio a Berlusconi por prostitución de menores



¡Primeras imágenes de Leo!

HASTA **40€**

PARA TU SIGUIENTE PASO POR EL TALLER

Con el ADSL de JAZZTEL

JAZZTEL

- Noticias de España y del Mundo [11870.com](#)
- Noticias Extremadura [Noticias Asturias](#)
- DiarioVasco.com [Portal de Granada](#)
- La Voz [Noticias Murcia](#)
- Finanzas [Cine en hoyCinema](#)
- Noticias Vizcaya
- Alquiler de Pisos en Santander [La Rioja.com](#)
- Actualidad de Málaga [Punto Radio](#)
- hoyMotor: Revista de coches
- La Trastienda digital: tu tienda online [NorteCastilla.es](#)
- Las Provincias [Ozú](#)
- Tráfico [Noticias Álava](#)

Aviso legal

Copyright © Factoría de Información, S.A, Madrid. 2010. Datos registrales: Constituida con otra denominación (modificada a la actual en inscripción 5ª) e inscrita en el Registro Mercantil de Madrid, Tomo 20684, Folio 176, Sección 8, Hoja M 366324, inscripción 1ª - C.I.F.: A-84159623 con domicilio social en Calle Orense, 81 y correo electrónico de contacto webque@que.es.

Incluye contenidos de la empresa citada, del diario Qué Copyright © Factoría de Información S.A., y, en su caso, de otras empresas del grupo de la empresa o de terceros.

EN CUALQUIER CASO TODOS LOS DERECHOS RESERVADOS: Queda prohibida la reproducción, distribución, puesta a disposición, comunicación pública y utilización, total o parcial, de los contenidos de esta web, en cualquier forma o modalidad, sin previa, expresa y escrita autorización, incluyendo, en particular, su mera reproducción y/o puesta a disposición como resúmenes, reseñas o revistas de prensa con fines comerciales o directa o indirectamente lucrativos, a la que se manifiesta oposición expresa.

[Trabaja con nosotros](#) [Condiciones de copia y distribución](#) [Quiénes somos](#) [Publicidad](#) [Aviso legal](#) [Contacto](#) [Titulares RSS](#)

Bienvenido a Gente **Qué!** | Accede directamente si tienes cuenta en

Más información

Pulso Entrar

Ahora más vuelos a Sudamérica
80 vuelos y 20.000 plazas mensuales más
IBERIA





Director: Manuel Romero
Miércoles, 06 de abril de 2011 | 13:55:20



Auditado por nielsen y 

Suscríbete al BOLETÍN | RSS 

PORTADA

MEDIOS

DEPORTES

VIVA LA VIDA

ACTUALIDAD

OPINIÓN

SALUD

TECNOLOGÍA

CONFLICTO

CULTURA

OCIO

MADRID

ÚLTIMA HORA

EN BARCELONA

Científicos internacionales compiten para encontrar el mejor método de secuenciación genómica

Europa Press

martes, 05 de abril de 2011, 14:53

BARCELONA, 5 (EUROPA PRESS)

Una cincuentena de científicos de todo el mundo compiten desde este martes hasta el 7 de abril en Barcelona para encontrar el mejor método computacional de secuenciación genómica, una experiencia pionera que pretende hacer avanzar las técnicas de experimentación.

En rueda de prensa, la directora general de Biocat, Montserrat Vendrell, ha explicado que estos investigadores catalanes, alemanes, rusos, ingleses, canadienses y chinos trabajarán en el modelo científico de "prueba y error" para demostrar qué modelos matemáticos son más eficientes --en coste y en tiempo-- para descifrar el genoma humano, ya que se trata de un proceso muy costoso.

Para ello, la organización --el Centre de Regulació Genòmica (CRG), el Centro Nacional de Análisis Genómico (Cnag), Biocat y la Obra Social La Caixa---- dispusieron en noviembre secuencias de 100 letras y con tres meses de tiempo, y los 20 grupos de investigadores --diez de secuenciación del ADN y diez del RNA-- han combinado diversos métodos, que estos días serán probados.

"No es lo mismo una solución de un millón de euros que otra de 500.000 euros", ha explicado el director del Cnag, Ivo Gut, quien ha insistido en que el hallazgo repercutirá en la mejora de la calidad de vida de los ciudadanos.

La secuenciación del primer genoma costó 3.000 millones de dólares y diez años de tiempo, y según avancen las investigaciones, en cinco años será posible individualizar el genoma de cada persona, según el coordinador del programa de Bioinformática y Genómica del CRG, Roderic Guigó.

Un genoma tiene 23 cromosomas --que contienen cada uno entre 250.000 millones de letras el genoma uno y 30 millones de letras el 22--, que deben ser partidos en trozos de 100 letras para poder ser analizados, y posteriormente reconstruidos, por lo que cada uno debe secuenciarse unas 70 veces para saber los puntos de empalme y su orden, como un "puzzle".

Actualmente, no existe ninguna máquina capaz de secuenciar un genoma entero, sino que la tecnología permite analizar pequeños fragmentos, afrontando diversos problemas.

El Cnag tiene la capacidad de analizar dos genomas humanos en 24 horas, frente al Centro de Genómica de Beijing (China) que multiplica por diez esta capacidad, alcanzando el análisis de 300 genomas diarios.

No obstante, el Cnag se sitúa en segunda posición en el ranking de los mejores centros de Europa, y además cuenta con una conexión permanente con el Centro de Supercomputación MareNostrum, que analiza los datos de forma permanente.

Gut ha destacado que es necesario que los ordenadores incrementen su potencial y rapidez para alcanzar velocidades de secuenciación como la china, lo que hará avanzar la biología, la medicina, la agricultura y todas las disciplinas que precisan conocer a fondo la estructura del material vivo.

20 CÉNTIMOS AL AÑO

El Cnag tiene un presupuesto de 10 millones de euros anuales, lo que supone una inversión de 20 céntimos de euro por cada español en la investigación de la secuenciación genómica.

"Es una pequeña aportación para una beneficio tan grande, por lo que podría aumentarse", ha dicho Gut, remarcando que además de la inversión, es importante saber repartir los recursos entre las redes que ponen en contacto médicos con pacientes e investigadores.

LAVOZLIBRE 

hoy en portada



Griñán al borde del KO: crisis socialista y el 'EREGate'

El PP pretende recuperar la publicidad para TVE



El drama de Matilde Solís y un chantaje de 590.000 euros



Vasile y sus 'men in black' cargan contra la competencia

ÚLTIMA HORA

- 13:46** Aumenta a 130 desaparecidos y 20 fallecidos el balance del naufragio de inmigrantes en Lampedusa (Italia) [»](#)
- 13:45** CORR-ETA-APM acusa a los negociadores del Gobierno de "deslegitimar" a jueces y cuestiona que Gómez Benítez siga en CGPJ [»](#)
- 13:45** La CNMV suspende la cotización de los títulos de Campofrío [»](#)
- 13:44** Aumenta a 130 desaparecidos y 20 fallecidos el balance del naufragio de inmigrantes en Lampedusa [»](#)
- 13:42** ETA-APM acusa a los

+

ALMONEDA
del 9 al 17 de Abril

Feria de Antigüedades,
Galerías de Arte
y Coleccionismo





La Voz Libre al Facebook

M'agrada

A 7,171 personas els agrada **La Voz Libre**.

[Iniciar sesión en facebook](#)[Iniciar sesión](#)[Regístrate](#)

España

Científicos internacionales compiten para encontrar el mejor método de secuenciación genómica

14:40h | EuropaPress

Una cincuentena de científicos de todo el mundo compiten desde este martes hasta el 7 de abril en Barcelona para encontrar el mejor método computacional de secuenciación genómica, una experiencia pionera que pretende hacer avanzar las técnicas de experimentación.

[Sé el primero en comentar esta noticia]

0

[Share](#)

BARCELONA, 5 (EUROPA PRESS)

Una cincuentena de científicos de todo el mundo compiten desde este martes hasta el 7 de abril en Barcelona para encontrar el mejor método computacional de secuenciación genómica, una experiencia pionera que pretende hacer avanzar las técnicas de experimentación.

En rueda de prensa, la directora general de Biocat, Montserrat Vendrell, ha explicado que estos investigadores catalanes, alemanes, rusos, ingleses, canadienses y chinos trabajarán en el modelo científico de "prueba y error" para demostrar qué modelos matemáticos son más eficientes --en coste y en tiempo-- para descifrar el genoma humano, ya que se trata de un proceso muy costoso.

Para ello, la organización --el Centre de Regulació Genòmica (CRG), el Centro Nacional de Análisis Genómico (Cnag), Biocat y la Obra Social La Caixa---- dispusieron en noviembre secuencias de 100 letras y con tres meses de tiempo, y los 20 grupos de investigadores --diez de secuenciación del ADN y diez del RNA-- han combinado diversos métodos, que estos días serán probados.

"No es lo mismo una solución de un millón de euros que otra de 500.000 euros", ha explicado el director del Cnag, Ivo Gut, quien ha insistido en que el hallazgo repercutirá en la mejora de la calidad de vida de los ciudadanos.

La secuenciación del primer genoma costó 3.000 millones de dólares y diez años de tiempo, y según avancen las investigaciones, en cinco años será posible individualizar el genoma de cada persona, según el coordinador del programa de Bioinformática y Genómica del CRG, Roderic Guigó.

Un genoma tiene 23 cromosomas --que contienen cada uno entre 250.000 millones de letras del genoma uno y 30 millones de letras el 22--, que deben ser partidos en trozos de 100 letras para poder ser analizados, y posteriormente reconstruidos, por lo que cada uno debe secuenciarse unas 70 veces para saber los puntos de empalme y su orden, como un "puzzle".

Actualmente, no existe ninguna máquina capaz de secuenciar un genoma entero, sino que la tecnología permite analizar pequeños fragmentos, afrontando diversos problemas.

El Cnag tiene la capacidad de analizar dos genomas humanos en 24 horas, frente al Centro de Genómica de Beijing (China) que multiplica por diez esta capacidad, alcanzando el análisis de 300 genomas diarios.

No obstante, el Cnag se sitúa en segunda posición en el ranking de los mejores centros de Europa, y además cuenta con una conexión permanente con el Centro de Supercomputación MareNostrum, que analiza los datos de forma permanente.

Gut ha destacado que es necesario que los ordenadores incrementen su potencial y rapidez para alcanzar velocidades de secuenciación como la china, lo que hará avanzar la biología, la medicina, la agricultura y todas las disciplinas que precisan conocer a fondo la estructura del material vivo.

20 CÉNTIMOS AL AÑO

El Cnag tiene un presupuesto de 10 millones de euros anuales, lo que supone una inversión de 20 céntimos de euro por cada español en la investigación de la secuenciación genómica.

"Es una pequeña aportación para un beneficio tan grande, por lo que podría aumentarse", ha dicho Gut, remarcando que además de la inversión, es importante saber repartir los recursos entre las redes que ponen en contacto médicos con pacientes e investigadores.

Vendrell ha destacado que el avance en la secuenciación genómica permitirá identificar grupos de población vulnerables y afinar en los tratamientos sanitarios, lo que repercutirá positivamente en la salud de las personas y en las arcas del sistema de salud.

Temas relacionados

[ESPAÑA](#)[LUGARES](#)[EUROPA](#)

0

[Share](#)

Destacamos



"Hay mucho dinero para los emprendedores"

Entrevista a Benjamin Coll, fundador de Shopal



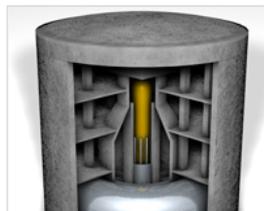
Carl Barát, Libertino de día, dj de noche

Uno de los músicos más valorados de la década



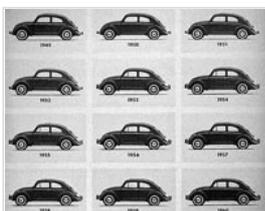
Nuestros mejores reportajes multimedia

Una selección de nuestros mejores vídeos



Preguntas sobre la seguridad nuclear

Dudas y respuestas sobre la seguridad en Fukushima.



Avance del nuevo Beetle

 <p>La situación en la central de Fukushima</p> <p>Incidencias en los reactores de la central nuclear.</p>	 <p>Los iconos de estilo de Justin Bieber</p> <p>No destaca por ser discreto. Repasamos todos sus looks.</p>	 <p>Terremoto con tsunami en Japón</p> <p>Videos y localizaciones del tsunami en Japón.</p>	 <p>Raúl y Del Bosque no tienen miedo a ganar</p> <p>Si quieres triunfar tienes que tener una mentalidad ganadora.</p>
--	--	--	--

Grado Técnico. Energéticas
 Tu desarrollo profesional en el área de la energía. ¡infórmate ya!

Trabaja en Medicina?
 Presente sus ideas para mejorar los Dispositivos Médicos con Eureka!



Últimas noticias

Alarte dice que Camps, Castedo y Fabra forman parte del "mismo proyecto fracasado"

Hace 01 minuto Leer artículo completo en www.diariocriticocv.com

Un total de 2.000 escolares participarán en 'La Dipu y la Fundación Ruralcaja con el Cole y el Teatro'

Hace 02 minutos Leer artículo completo en www.diariocriticocv.com

El viernes se ensaya el carril reversible para viajar desde Bilbao hasta Liendo

Hace 02 minutos Leer artículo completo en www.elcorreo.com

El PSOE sitúa a un exconcejal del PP de La Carolina en los ERE irregulares

Hace 02 minutos Leer artículo completo en www.ideal.es

Un joven herido al empotrarse el autobús contra la parada

Hace 04 minutos Leer artículo completo en www.abcdesevilla.es

Blanco presenta un plan para ahorrar 11.479 millones

Hace 04 minutos Leer artículo completo en www.abc.es

Portada	Últimas noticias	Videos	Fotos	Gráficos	Blogs	Categorías	Lugares	Personajes	Empresas	Organismos	Archivo	RSS
Secciones	Mundo	España	Deportes	Economía	Artes	Tendencias	Ciencia	Gente	Televisión	Microsiervos	Humor	
Servicios Lotería Programación TV Tráfico Juegos Coches de ocasión	Sobre nosotros Conócenos Quiénes Somos Redacción Publicidad Blog 'Proyecto i' Mapa del sitio Tef: 91 766 81 17	Otros webs 233grados.com Practicopedia.com Resultados-futbol.com Gaussianos 233libros.com Metaconfidencial.com	Aviso legal Condiciones de uso Política de privacidad	Especiales MÁS RECIENTES Revueltas en el mundo árabe Cajas de Ahorros Terremoto en Japón iPad2 Euribor MÁS ANTIGUAS								
Busca en miles de textos, vídeos y fotos 												

Síguenos también en: Facebook Twitter Flickr Google News Youtube iPhone iPad Android
 Copyright © la información Todos los derechos reservados



-70 % Descuento Barcelona
Ofertas diarias. Descúbrelas ahora en Barcelona. ¡Un 70 % de Dcto.!

Anuncios Google

miércoles, 6 de abril de 2011 | 13:57 | www.gentedigital.es | [f](#) [t](#)

Gente



Científicos internacionales compiten para encontrar el mejor método de secuenciación genómica

Una cincuentena de científicos de todo el mundo compiten desde este martes hasta el 7 de abril en Barcelona para encontrar el mejor método computacional de secuenciación genómica, una experiencia pionera que pretende hacer avanzar las técnicas de experimentación.

o compiten desde este martes hasta el 7 de abril en
utacional de secuenciación genómica, una
las técnicas de experimentación.

at, Montserrat Vendrell, ha explicado que estos
ses, canadienses y chinos trabajarán en el modelo
é modelos matemáticos son más eficientes --en coste
ya que se trata de un proceso muy costoso.

ió Genómica (CRG), el Centro Nacional de Análisis
xa---- dispusieron en noviembre secuencias de 100
s de investigadores --diez de secuenciación del ADN

y diez del RNA-- han combinado diversos métodos, que estos días serán probados.

"No es lo mismo una solución de un millón de euros que otra de 500.000 euros", ha explicado el director del Cnag, Ivo Gut, quien ha insistido en que el hallazgo repercutirá en la mejora de la calidad de vida de los ciudadanos.

La secuenciación del primer genoma costó 3.000 millones de dólares y diez años de tiempo, y según avancen las investigaciones, en cinco años será posible individualizar el genoma de cada persona, según el coordinador del programa de Bioinformática y Genómica del CRG, Roderic Guigó.

Un genoma tiene 23 cromosomas --que contienen cada uno entre 250.000 millones de letras el genoma uno y 30 millones de letras el 22--, que deben ser partidos en trozos de 100 letras para poder ser analizados, y posteriormente reconstruidos, por lo que cada uno debe secuenciarse unas 70 veces para saber los puntos de empalme y su orden, como un "puzzle".

Actualmente, no existe ninguna máquina capaz de secuenciar un genoma entero, sino que la tecnología permite analizar pequeños fragmentos, afrontando diversos problemas.

El Cnag tiene la capacidad de analizar dos genomas humanos en 24 horas, frente al Centro de Genómica de Beijing (China) que multiplica por diez esta capacidad, alcanzando el análisis de 300 genomas diarios.

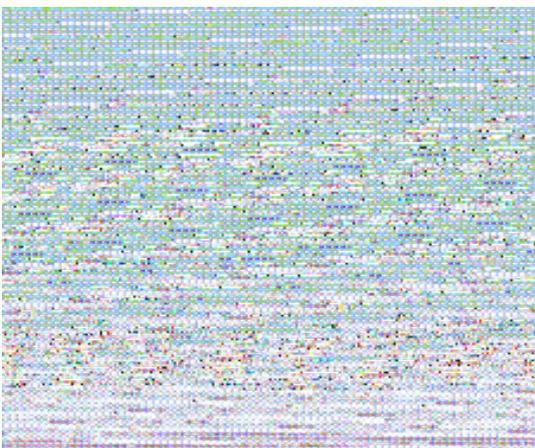
No obstante, el Cnag se sitúa en segunda posición en el ranking de los mejores centros de Europa, y además cuenta con una conexión permanente con el Centro de Supercomputación MareNostrum, que analiza los datos de forma permanente.

Gut ha destacado que es necesario que los ordenadores incrementen su potencial y rapidez para alcanzar velocidades de secuenciación como la china, lo que hará avanzar la biología, la medicina, la agricultura y todas las disciplinas que precisan conocer a fondo la estructura del material vivo.

20 CÉNTIMOS AL AÑO

El Cnag tiene un presupuesto de 10 millones de euros anuales, lo que supone una inversión de 20 céntimos de euro por cada español en la investigación de la secuenciación genómica.

"Es una pequeña aportación para una beneficio tan grande, por lo que podría aumentarse", ha dicho Gut, remarcando que además de la inversión, es importante saber repartir los recursos entre las redes que ponen en contacto médicos con pacientes e investigadores.



Se secuenciación genómica permitirá identificar grupos de riesgo de enfermedades sanitarias, lo que repercutirá positivamente en la mejora de la salud.



Publicación mensual en prensa semanal gratuita según PGD-OJD



Terapia con Células Madre Nuevos tratamientos para mejorar la situación de enfermos degenerativos www.xcell-center
Plan África Luchamos por su futuro. Apadrina un niño. Infórmate. Yosolonopuedo.com/Plan-Africa
Reproducción CEFER Más de 30 años de experiencia Comprometidos con la Calidad www.institutocefer.com

Este espacio todavía no es un banner

¿Lo quieres para tu empresa?

Diario El Viajero Magazine Tienda Diseño Grupo S. XXI

Miércoles, 06 de abril de 2011. Actualizado a las 13:59 h.

Diario SIGLO XXI.com

Diario digital independiente, plural y abierto.
Fundado en noviembre de 2003.

Buscar

Portada | Opinión | Firmas | Viñetas | España | Mundo | Economía | Entrevistas y charlas | Especiales | Última Hora
 Imágenes Última hora Encuestas El Tiempo Páginas blancas Páginas Amarillas Callejero

Deportes

- Fútbol
- Baloncesto
- Motor
- Tenis
- Balónmano
- Ciclismo
- Boxeo
- Golf
- Vela y Copa Am.
- Atletismo
- Más deportes

aprendemas.com

- Cursos
- Másteres

Economía

- Vivienda
- Automóviles

Cultura y ocio

- Cine
- Televisión
- Música
- Libros

Sociedad

- Sucesos y tribu.
- Ciencia y salud
- Religión
- Prensa y medios
- Educación
- Gente

Paradores.
93 maneras
de vivir una
experiencia única.

**Gastronomía,
vinos y lugares**
J. Ruiz de Infante

Toros
Ignacio de Cossío

Consigue tus
120€

El Tiempo

Páginas blancas

Páginas Amarillas

Callejero

Seguros.es

Sanidad

Científicos internacionales compiten para encontrar el mejor método de secuenciación genómica

BARCELONA, 5 (EUROPA PRESS)

Una cincuenta de científicos de todo el mundo compiten desde este martes hasta el 7 de abril en Barcelona para encontrar el mejor método computacional de secuenciación genómica, una experiencia pionera que pretende hacer avanzar las técnicas de experimentación.

En rueda de prensa, la directora general de Biocat, Montserrat Vendrell, ha explicado que estos investigadores catalanes, alemanes, rusos, ingleses, canadienses y chinos trabajarán en el modelo científico de "prueba y error" para demostrar qué modelos matemáticos son más eficientes --en coste y en tiempo-- para descifrar el genoma humano, ya que se trata de un proceso muy costoso.

Para ello, la organización --el Centre de Regulació Genòmica (CRG), el Centro Nacional de Análisis Genómico (Cnag), Biocat y la Obra Social La Caixa--- dispusieron en noviembre secuencias de 100 letras y con tres meses de tiempo, y los 20 grupos de investigadores --diez de secuenciación del ADN y diez del RNA-- han combinado diversos métodos, que estos días serán probados.

"No es lo mismo una solución de un millón de euros que otra de 500.000 euros", ha explicado el director del Cnag, Ivo Gut, quien ha insistido en que el hallazgo repercutirá en la mejora de la calidad de vida de los ciudadanos.

La secuenciación del primer genoma costó 3.000 millones de dólares y diez años de tiempo, y según avancen las investigaciones, en cinco años será posible individualizar el genoma de cada persona, según el coordinador del programa de Bioinformática y Genómica del CRG, Roderic Guigó.

Un genoma tiene 23 cromosomas --que contienen cada uno entre 250.000 millones de letras el genoma uno y 30 millones de letras el 22--, que deben ser partidos en trozos de 100 letras para poder ser analizados, y posteriormente reconstruidos, por lo que cada uno debe secuenciarse unas 70 veces para saber los puntos de empalme y su orden, como un "puzzle".

Actualmente, no existe ninguna máquina capaz de secuenciar un genoma entero, sino que la tecnología permite analizar pequeños fragmentos, afrontando diversos problemas.

El Cnag tiene la capacidad de analizar dos genomas humanos en 24 horas, frente al Centro de Genómica de Beijing (China) que multiplica por diez esta capacidad, alcanzando el análisis de 300 genomas diarios.

No obstante, el Cnag se sitúa en segunda posición en el ranking de los mejores centros de Europa, y además cuenta con una conexión permanente con el Centro de Supercomputación MareNostrum, que analiza los datos de forma permanente.

Gut ha destacado que es necesario que los ordenadores incrementen su potencial y rapidez para alcanzar velocidades de secuenciación como la china, lo que hará avanzar la biología, la medicina, la agricultura y todas las disciplinas que precisan conocer a fondo la estructura del material vivo.

20 CÉNTIMOS AL AÑO

El Cnag tiene un presupuesto de 10 millones de euros anuales, lo que supone una inversión de 20 céntimos de euro por cada español en la investigación de la secuenciación genómica.

"Es una pequeña aportación para una beneficio tan grande, por lo que podría aumentarse", ha dicho Gut, remarcando que además de la inversión, es importante saber repartir los recursos entre las redes que ponen en contacto médicos con pacientes e investigadores.

Vendrell ha destacado que el avance en la secuenciación genómica permitirá identificar grupos de población vulnerables y afinar en los tratamientos sanitarios, lo que repercutirá positivamente en la salud de las personas y en las arcas del sistema de salud.

Comentarios

PUBLICIDAD

Pruebas Paternidad 169 €

La prueba que esperaba 3 - 5 días - 99,9999 %

www.europaternidad.com

Pruebas de Paternidad

Centro Autorizado Genética Humana
Resultado en 48 horas

www.progenie-molecular.com

Microarrays Metilación

Metilación en el genoma Patrones de metilación en células

www.bioarray.es

Publicado el martes 5 de abril de 2011 a las 14:53 horas.

» Carta al director

» Imprimir página

» Guardar y compartir

Facebook

Menéame

Wikio

Tuenti

Google

Yahoo!

Windows Live

Digg

Delicious

Technorati

Blinklist

Fresqui

Newsvine

Reddit

Otros textos de Sanidad

» El 72% de los jóvenes ve el alcohol como una droga más

» Los hospitales comarcales ven imposible reducir un 10% de su presupuesto

» Los hospitales comarcales ven imposible reducir un 10% de su presupuesto

» Los hospitales comarcales ven imposible reducir un 10% de su presupuesto

» Los hosteleros se concentran este jueves en Huesca contra la Ley del Tabaco

Impresión en LONA 500gr.
 Pancartas de lona a todo color! Oferta 19 € m2, REBAJAS Lona pvc
www.zonaplotter.com/

Twister Medical - S@lud
 Desfibriladores, Reanimación, UCI Simuladores Medicos y Maniquis
www.twistermedical.com

Curso de Audioprótesis
 Consigue ya tu Título Oficial de FP A distancia. Solicita Información!
Formacion-Universitar

Geobiología para TU salud
 Corrientes, Hartmann, Antenas, Wifi Dormiras mejor y estarás más vital.
www.inout3.com

Escriba su opinión

Nombre y apellidos*

Email (no se mostrará en público)*

Su blog o sitio web

Comentario (máximo 1.000 caracteres)*

Publicar (*) Obligatorio.

NORMAS DE USO
 » El botón 'Publicar' se activa tras rellenar los campos obligatorios.
 » Puede opinar con libertad utilizando un lenguaje respetuoso.
 » Escriba con corrección ortográfica y gramatical.
 » El editor se reserva el derecho a borrar comentarios inadecuados.

PUBLICIDAD

¿Conoces tu peso Ideal?

altura: 1,80
 edad: 29
 peso: 90

Sobrepeso **X**

Calcula tu peso Ideal

PUBLICIDAD

Audi

¿Y si fuera posible hacer con el metal todo lo que quisiéramos?

¿Quiénes somos? • Estadísticas • Publicidad • Redes sociales • RSS

© SIGLO XXI - Diario digital independiente, plural y abierto | Director: Guillermo Peris Peris
 Prohibida la reproducción total o parcial de los contenidos. Toda responsabilidad derivada de los textos recae sobre sus autores. Reservados todos los derechos.

Científicos internacionales compiten para encontrar el mejor método de secuenciación genómica

Una cincuentena de científicos de todo el mundo compiten desde este martes hasta el 7 de abril en Barcelona para encontrar el mejor método computacional de secuenciación genómica, una experiencia pionera que pretende hacer avanzar las técnicas de experimentación.

[Me gusta](#)

Be the first of your friends to like this.

En rueda de prensa, la directora general de Biocat, Montserrat Vendrell, ha explicado que estos investigadores catalanes, alemanes, rusos, ingleses, canadienses y chinos trabajarán en el modelo científico de 'prueba y error' para demostrar qué modelos matemáticos son más eficientes --en coste y en tiempo-- para descifrar el genoma humano, ya que se trata de un proceso muy costoso.

Para ello, la organización --el Centre de Regulació Genòmica (CRG), el Centro Nacional de Análisis Genómico (Cnag), Biocat y la Obra Social La Caixa---- dispusieron en noviembre secuencias de 100 letras y con tres meses de tiempo, y los 20 grupos de investigadores --diez de secuenciación del ADN y diez del RNA-- han combinado diversos métodos, que estos días serán probados.

'No es lo mismo una solución de un millón de euros que otra de 500.000 euros', ha explicado el director del Cnag, Ivo Gut, quien ha insistido en que el hallazgo repercutirá en la mejora de la calidad de vida de los ciudadanos.

La secuenciación del primer genoma costó 3.000 millones de dólares y diez años de tiempo, y según avancen las investigaciones, en cinco años será posible individualizar el genoma de cada persona, según el coordinador del programa de Bioinformática y Genómica del CRG, Roderic Guigó.

Un genoma tiene 23 cromosomas --que contienen cada uno entre 250.000 millones de letras el genoma uno y 30 millones de letras el 22--, que deben ser partidos en trozos de 100 letras para poder ser analizados, y posteriormente reconstruidos, por lo que cada uno debe secuenciarse unas 70 veces para saber los puntos de empalme y su orden, como un 'puzzle'.

Actualmente, no existe ninguna máquina capaz de secuenciar un genoma entero, sino que la tecnología permite analizar pequeños fragmentos, afrontando diversos problemas.

El Cnag tiene la capacidad de analizar dos genomas humanos en 24 horas, frente al Centro de Genómica de Beijing (China) que multiplica por diez esta capacidad, alcanzando el análisis de 300 genomas diarios.

No obstante, el Cnag se sitúa en segunda posición en el ranking de los mejores centros de Europa, y además cuenta con una conexión permanente con el Centro de Supercomputación MareNostrum, que analiza los datos de forma permanente.

Gut ha destacado que es necesario que las ordenadores incrementen su potencial y rapidez para alcanzar velocidades de secuenciación como la china, lo que hará avanzar la biología, la medicina, la agricultura y todas las disciplinas que precisan conocer a fondo la estructura del material vivo.

20 CÉNTIMOS AL AÑO

El Cnag tiene un presupuesto de 10 millones de euros anuales, lo que supone una inversión de 20 céntimos de euro por cada español en la investigación de la secuenciación genómica.

'Es una pequeña aportación para una beneficio tan grande, por lo que podría aumentarse', ha dicho Gut, remarcando que además de la inversión, es importante saber repartir los recursos entre las redes que ponen en contacto médicos con pacientes e investigadores.

Vendrell ha destacado que el avance en la secuenciación genómica permitirá identificar grupos de población vulnerables y afinar en los tratamientos sanitarios, lo que repercutirá positivamente en la salud de las personas y en las arcas del sistema de salud.

Terra | Noticias:

[Noticias](#) | [Inicio](#) | [España](#) | [Mundo](#) | [Local](#) | [Sucesos](#) | [Gente y Cultura](#) | [Especiales](#) | [Vídeos](#) | [Fotos](#) |[RSS Terra Noticias](#) | [Página Inicio Terra Noticias](#) | [Mapa Web](#) |

Otros enlaces:

[Conoce Terra en otros países](#) | [Aviso e Información legales](#) | [Anúnciate](#) | [Política de privacidad](#) | [Copyright 2011](#) | [Telefónica de España, S.A.U](#) |