



Científicos del CHUS descifran el ADN del mosquito del Nilo

01.10.2010 El hallazgo abre la puerta a reducir las dolencias que provoca/"Con el cambio climático y la globalización no hay que descartar que el Culex llegue a Galicia"

M.MERA SANTIAGO

La revista *Science*, considerada la biblia en publicaciones científicas a nivel mundial, publicará hoy un gran avance conseguido por un equipo internacional del que forman parte investigadores del Complejo Hospitalario Universitario de Santiago. Este consorcio ha conseguido secuenciar el genoma del llamado mosquito del Nilo (*Culex quinquefasciatus*), que provoca 120 millones de casos de filariasis linfática (elefantiasis) y que también es transmisor de varios tipos de encefalitis, además de otras enfermedades víricas.

"El hallazgo abre una puerta a disminuir las infecciones que provoca uno de los tres principales mosquitos transmisores de enfermedades a humanos", asegura José Manuel Castro Tubío, investigador adscrito al servicio de Hematología del CHUS, y que pese a su juventud, -tiene solo 32 años-, ya ha participado también en la secuenciación genética de los mosquitos responsables de la transmisión del dengue, fiebre amarilla y malaria.

Actualmente, este compostelano trabaja en el Centro de Regulación Genómica de Barcelona en un importante proyecto sobre el genoma de la leucemia, único que estudia este tipo de cáncer en España.

Sobre el mosquito del Nilo, considerado como el tercero más importante a nivel sanitario del mundo, subraya que "no sólo causa problemas de salud en el Tercer Mundo, sino también en países tan superdesarrollados como Estados Unidos".

Preguntado sobre la posibilidad de que este tipo de mosquito pueda afectar a los gallegos, Castro Tubío no duda en que "con el brutal cambio climático que padecemos, unido al fenómeno de la globalización, no hay que descartar que el Culex llegue a Galicia, aunque sea en décadas".

De todos modos, centrado en el presente, este investigador compostelano, asociado a Hematología del CHUS y que trabaja con la beca Anxos Alvariño de la Xunta, subraya que el hallazgo supondrá en el futuro una gran ventaja debido a la dificultad de comprar fármacos en países tercermundistas para luchar contra el citado mosquito.

Y es que calcula que en menos de cinco años, y en base a este proyecto genoma, haya insecticidas específicos contra el Culex.

Además, se sienta la base "para que en un futuro se encuentren los genes implicados en la transmisión de las enfermedades por la picadura de este mosquito y sustituir su lugar en la naturaleza por otros que no sean transmisores".

local@elcorreogallego.es

José M. Castro Tubío

Investigador del CHUS

"En el equipo gallego estamos, además del CHUS, investigadores de Medicina Genómica y de la Universidade da Coruña"

"En mi carrera hay un plus de sacrificio y suerte, al contar con la ayuda de figuras como Valadé del Río, Bello y Carracedo"

"Participaré en un proyecto muy ambicioso para frenar la causa de la transmisión
de la malaria
en el mundo"