

Noticias agencias

Rioja acoge la tercera Plataforma española para secuenciar el genoma humano

30-06-2010 / 13:40 h

Logroño, 30 jun (EFE).- El Centro de Investigación Biomédica de La Rioja (CIBIR) ha instalado una Plataforma de Genómica, que es la tercera de España, que permitirá secuenciar en un mes el genoma humano y encontrar el mejor tratamiento para cada paciente en concreto, ha dicho hoy el consejero de Salud, José Ignacio Nieto.

Nieto y la responsable de la Plataforma, María Iñiguez, han presentado hoy, en un encuentro informativo, esta Plataforma, que está formada por un sistema informático "muy potente" y por un microscopio confocal, de "altísimas prestaciones", según el consejero de Salud riojano.

Iñiguez ha precisado que una tecnología similar a la que incorpora ahora el CIBIR sólo existe actualmente en España en el CIC Biogune, de Bilbao, y en el Centro de Regulación Genómica de Barcelona.

La incorporación de esta tecnología, cuyo coste asciende a 400.000 euros, permitirá que este centro de investigación sea "mucho más competitivo" y ser utilizada por investigadores de otros centros que no disponen de ella.

La responsable de la Plataforma ha destacado que, con esta tecnología, el genoma humano se podrá secuenciar en el plazo aproximado de un mes, con un coste de unos diez mil euros, frente a los trece años que costó desarrollar el proyecto completo de secuenciación del genoma humano, iniciado en 1990, y con un coste de tres mil millones de dólares.

Entre las aplicaciones de la Plataforma ha citado que permitirá conocer no sólo la causa de una enfermedad, sino también la susceptibilidad del paciente a determinados tratamientos.

Según Iñiguez, patologías como el cáncer, el sida, las enfermedades infecciosas, cardiovasculares y del sistema nervioso podrán ser analizadas con esta nueva tecnología.

En el caso del cáncer, esta herramienta permitirá ayudar a conocer los mecanismos de causa y progresión de esta enfermedad, de manera que, en un futuro, se puedan identificar nuevos tratamientos más eficaces.

Dentro del cáncer, ha destacado también que puede ser útil para identificar mutaciones asociadas a la enfermedad, de manera que los investigadores "podamos diagnosticar la predisponibilidad genética de una persona a padecerla; prevenir en un futuro el cáncer familiar o, una vez conozcamos el genoma de una persona, realizar un tratamiento individualizado". EFE.