

Memòria anual

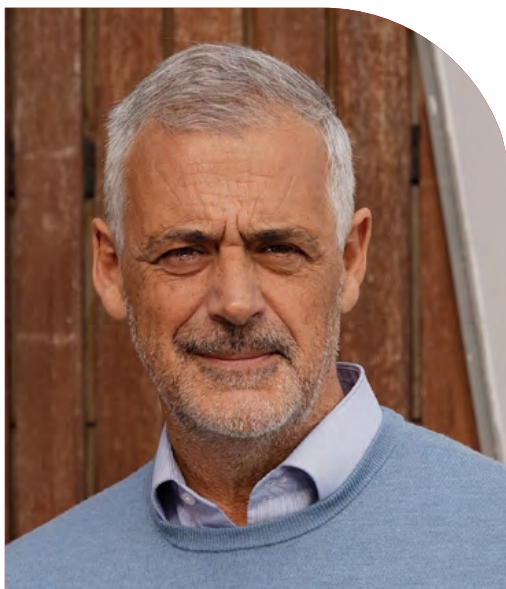
2025



Índex

Pròleg

Luis Serrano DIRECTOR (2011–2026)



2025 va ser un any de transició, renovació i ambició continuada per al CRG. Mentre escric aquestes línies, després d'haver completat el meu mandat com a director, miro enrere amb un immens orgull pel que la nostra comunitat ha aconseguit i amb gran confiança en el futur de l'institut.

Al llarg de l'any, les investigadores i investigadors van continuar ampliant els límits del coneixement en diferents disciplines, des de la biologia del genoma i la recerca de l'ARN fins a la biologia de sistemes, biologia de teixits, biologia computacional i intel·ligència artificial. La nostra excel·lència científica es va veure recompensada per importants ajudes i beques competitives, incloent-hi dues noves ajudes ERC Starting Grants, nous nomenaments a ICREA, el suport de la Fundació "la Caixa", l'AECC, la Fundació BBVA i molts altres organismes finançadors. Aquestes fites reflecteixen la creativitat, la determinació i el talent de les nostres investigadores i investigadors en totes les etapes de la seva carrera.

A nivell institucional, 2025 va estar marcat per fites importants. Ampliàrem les nostres instal·lacions amb nous espais a la Torre MareNostrum, situada al costat de l'edifici del PRBB, reforçant el nostre compromís amb la biologia computacional i la IA; el Programa de Biologia del Genoma va rebre una avaluació externa positiva i continuem

reforçant el nostre lideratge internacional mitjançant iniciatives com l'Arxiu Europeu de Genomes i Fenomes Federat, que va assolir una nova fita amb la seva expansió a Europa i més enllà.

Un moment especialment significatiu per a l'institut va ser el nomenament de Mònica Bettencourt-Dias com a propera directora del CRG. Científica destacada i líder experimentada, assumirà oficialment el càrrec el maig del 2026. Em complau passar-li el relleu i estic segur que, sota el seu lideratge, el CRG seguirà prosperant, ampliant el seu impacte científic i reforçant la seva posició entre els principals centres de recerca biomèdica del món.

La innovació va continuar essent una característica definitiva del nostre institut. Noves aliances amb proveïdors tecnològics van aportar capacitats d'avantguarda a les nostres plataformes científiques, mentre que el llançament de la Plataforma Transversal de Cèl·lula Única i noves col·laboracions en el diagnòstic de malalties rares van reforçar encara més el nostre compromís amb traduir el coneixement en impacte. Alhora, la nostra comunitat va continuar promovent la sostenibilitat, la diversitat i la inclusió, reconeixent que l'excel·lència científica ha d'anar de la mà de pràctiques d'investigació responsables i equitatives.

Un dels esforços col·lectius més significatius de l'any va ser la preparació i presentació de la nostra proposta per renovar l'acreditació com a Centre d'Excel·lència Severo Ochoa. La preparació de la proposta va mobilitzar investigadores, personal de suport i departaments de tot l'institut. Ara sabem que aquest esforç ha estat recompensat amb un resultat exitós, reafirmant la posició de la CRG entre els principals centres de recerca d'Espanya.

Després de més de catorze anys com a director, ha estat un privilegi presenciar el creixement del CRG fins a convertir-se en un centre d'excel·lència reconegut a nivell mundial. Tot i que ara torno a dedicar tota la meva atenció a la investigació, ho faig sabent que l'institut entra en un nou capítol des d'una posició de fortalesa. Les fites descrites en aquestes pàgines pertanyen a tota la comunitat del CRG, la dedicació, la curiositat i esperit col·laboratiu de la qual continuen inspirant-me cada dia.

Voldria agrair a totes les persones del CRG, passades i presents, així com als nostres aliats, finançadors i patrons, la seva confiança i compromís al llarg d'aquest extraordinari camí. Per damunt de tot, li desitjo a Mònica Betencourt-Dias tot l'èxit en prendre les regnes de l'institut. Estic segur que el futur del CRG és prometedor i que els propers anys ens duran nous descobriments, noves oportunitats i èxits encara més grans.

Resum de l'any

INSTITUCIONAL

FÁTIMA GEBAUER ELEGIDA PRESIDENTA DE LA RNA SOCIETY

La RNA Society és una de les principals organitzacions mundials en recerca de l'ARN. El nomenament reconeix les notables i continuades contribucions científiques de Gebauer i reforça el lideratge internacional del CRG en el camp de la biologia de l'ARN.

VISITA DEL CONSELL CIENTÍFIC ASSESSOR I AVALUACIÓ DEL PROGRAMA DE BIOLOGIA DEL GENOMA

Al febrer, el Consell Científic Assessor va visitar el centre i va destacar la fortalesa i ambició dels seus programes de recerca, i al juliol el Programa de Biologia del Genoma va rebre una excel·lent avaluació per part d'un panell internacional d'experts.

SUÏSSA S'UNEIX A LA XARXA EGA FEDERADA

Després de la incorporació del Canadà el 2024, la Xarxa Federada de l'Arxiu Europeu de Genomes i Fenomes (FEGA) va donar la benvinguda a Suïssa el 2025, afegint així el desè node a aquesta iniciativa. Coordinada en part pel CRG, la iniciativa enforteix la col·laboració global en l'intercanvi segur de dades genòmiques i dona suport a la recerca biomèdica internacional.

CRG AMPLIA LES SEVES INSTAL·LACIONS A LA TORRE MARENOSTRUM

Vam reforçar el nostre compromís amb la biologia computacional i la intel·ligència artificial amb noves instal·lacions a la Torre MareNostrum de Barcelona. Vam llogar una planta sencera, creant noves oportunitats de col·laboració interdisciplinària en la intersecció de la genòmica, la ciència de dades i la IA. Els nous espais també acolliran el Barcelona Collaboratorium, que es traslladarà des de la Fundació Pasqual Maragall, reforçant encara més les sinèrgies entre institucions que treballen en la intersecció de la biomedicina, la tecnologia i la innovació.

MÓNICA BETTENCOURT-DIAS NOMENADA NOVA DIRECTORA DEL CRG

El juliol del 2025, el Patronat del CRG va nomenar Mónica Bettencourt-Dias com a nova directora del CRG. Biòloga cel·lular reconeguda internacionalment i líder científica experimentada, guiarà la institució en la seva pròxima fase de desenvolupament científic i organitzatiu. Començarà oficialment el seu mandat el maig del 2026.

EU-LIFE ENFORTEIX LA COL·LABORACIÓ I EL SUPORT A TOTA EUROPA

Com a part de l'aliança EU-LIFE, vam contribuir a ampliar la seva influència com a xarxa d'instituts líders de recerca en ciències de la vida a tota Europa. L'aliança va donar la benvinguda a dos nous membres, enfortint la seva presència a 17 instituts de 16 països. EU-LIFE també va reforçar el seu paper en la política científica europea, advocant per un finançament ambiciós de la recerca i un major suport a la ciència impulsada pels investigadors, alhora que va promoure iniciatives per a investigadors postdoctorals, carreres científiques, col·laboració i excel·lència científica a tota Europa.

INSTITUCIONAL

INICIATIVES D'IGUALTAT DE GÈNERE, DIVERSITAT I INCLUSIÓ (GEDI)

Al llarg de 2025, el Comitè GEDI va continuar promovent un entorn d'investigació més inclusiu i de suport a través d'una varietat d'iniciatives i activitats de conscienciació. Aquestes van incloure noves convocatòries d'ajudes *Child and Family Care Travel Support Grants*, la continuació del programa de *Women Scientists Support (WOSS)*, celebracions pel Dia Internacional de la Dona i la Nena en la Ciència i el Dia Internacional de la Dona, i l'organització de la Caminada de l'Orgull per donar suport a la visibilitat LGBTQIA+ en la ciència. El comitè també va llançar una campanya de comunicació interna per conscienciar sobre les iniciatives GEDI i fomentar una major implicació comunitària a tot l'institut.

IMPULS DE LA SOSTENIBILITAT AL CRG

Diversos laboratoris del CRG van rebre la certificació LEAF (*Laboratory Efficiency Assessment Framework*) el 2025, reconeixent els seus esforços per reduir els residus, el consum d'energia i l'ús de plàstics d'un sol ús. Aquest assoliment reflecteix el creixent compromís de la comunitat CRG per integrar pràctiques sostenibles en la recerca científica quotidiana.

AVANÇANT EN L'AVALUACIÓ DE LA RECERCA I LES NARRATIVES D'IMPACTE

El CRG va continuar contribuint als debats internacionals sobre la reforma de l'avaluació de la recerca a través d'iniciatives com CoARA i el projecte CoARA Boost INCAS. Aquests esforços donen suport a enfocaments més responsables i inclusius per reconèixer el valor de la recerca fonamental i el seu impacte social a llarg termini.

TROBADA DE L'ART I LA CIÈNCIA A L'EXPOSICIÓ D'ECABOX

L'exposició *Seeing. Un ull i una caixa*, celebrada al Convent de Sant Agustí, va reunir art, ciència i participació pública a través del projecte EcaBox. La iniciativa va convidar el públic a reflexionar sobre la percepció, la tecnologia i la biologia, destacant el compromís del CRG amb el foment del diàleg entre la recerca científica i la cultura contemporània.

FINANÇAMENT

CINC NOVEVS BEQUES "la Caixa" INPhINIT

Cinc projectes de doctorat del CRG van rebre beques INPhINIT de la Fundació "la Caixa" el 2025. El programa, altament competitiu, dona suport a investigadors/es destacats/des en etapes primerenques de la seva carrera que duen a terme investigacions interdisciplinàries ambicioses.

RENÉE BEEKMAN REP LA BECA FERO

Renée va rebre la XXIX beca FERO per a joves investigadors, en reconeixement al seu treball en biologia del càncer i medicina de precisió. El premi dona suport a investigacions innovadores destinades a millorar el diagnòstic i el tractament del càncer.

AECC DONA SUPORT A NOUS PROJECTES D'INVESTIGACIÓ SOBRE EL CÀNCER

L'Associació Espanyola Contra el Càncer (AECC) va concedir finançament a Luciano Di Croce i Sara Sdelci, tots dos desenvolupant projectes amb enfocaments innovadors per comprendre i prevenir la metastasi del càncer. Els projectes busquen descobrir noves vulnerabilitats en algunes de les formes més mortals de càncer.

LLANÇAMENT DEL PROJECTE VITA PER PROMOURE L'ENVELLIMENT SALUDABLE

Investigadors/es de l'Institut de Recerca de l'Hospital del Mar, el CRG (Mara Dierssen) i IrsiCaixa van llançar el Projecte VITA, una ambiciosa iniciativa centrada a comprendre l'envelliment saludable. El projecte forma part del concurs global XPRIZE Healthspan.

DOS NOUS AJUTS ERC STARTING GRANTS PER AL CRG

El Consell Europeu de Recerca va concedir dos nous Starting Grants als nouvinguts Markus Höpfler i Hsiu-Chuan Lin. Les prestigioses subvencions donaran suport a investigacions pioneres en regulació gènica, comunicació cel·lular i biologia cerebral.

FINANÇAMENT PER A LA INVESTIGACIÓ SOBRE L'ENVELLIMENT

La Fundació BBVA va concedir un ajut a Nick Stroustrup per a un projecte que investiga les arrels moleculars de l'envelliment. La recerca té com a objectiu descobrir mecanismes biològics fonamentals vinculats a la longevitat i a les malalties relacionades amb l'edat.

FINANÇAMENT

SUPORT DELS PROJECTES SINGULARS DE LA GENERALITAT DE CATALUNYA

El CRG va aconseguir finançament a través d'aquest programa de la Generalitat per posar en marxa una infraestructura integrada de microscòpia per a l'estudi avançat de mostres biològiques. La iniciativa enfortirà les capacitats tecnològiques que donen suport a la recerca i la innovació estratègiques amb impacte científic, social i econòmic.

DUES NOVES XARXES DOCTORALS EUROPEES

El CRG coordinarà dues noves Xarxes Doctorals Europees finançades el 2025 per Horizon Europe Marie Skłodowska-Curie Actions (MSCA): EvoMG-DN, centrada en genòmica mèdica evolutiva (Manuel Irimia), i ProtAlomics, dedicada a integrar la intel·ligència artificial en la investigació en proteòmica i aplicacions translacionals (Eduard Sabidó).

EMPRESA, INNOVACIÓ I TECNOLOGIES

VERITAS GENETICS ADQUIREIX qGenomics

La primera spin-off del CRG, qGenomics, especialitzada en diagnòstic genòmic, va ser adquirida per Veritas Genetics. L'adquisició reflecteix l'impacte de la innovació i l'emprenedoria del CRG en l'avenç de les tecnologies de medicina de precisió.

EL CRG INNOVATORS DAY CELEBRA L'EMPREDORIA I LA TRANSFERÈNCIA TECNOLÒGICA

Aquesta activitat va reconèixer iniciatives d'innovació destacades a través del Premi a l'Innovador CRG i el programa MenTT4Inn. L'esdeveniment va destacar el creixent ecosistema emprenedor del centre i el seu compromís amb la transferència tecnològica.

LLANÇAMENT DE LA NOVA PLATAFORMA TRANSVERSAL DE CÈL·LULA ÚNICA

El Programa de Tecnologies Fonamentals va llançar la seva nova Plataforma Transversal de Cèl·lula Única, que reuneix el coneixement i les tecnologies de les unitats de citometria de flux, genòmica, tecnologies de proteïnes i bioinformàtica, per donar suport a la recerca avançada de cèl·lules úniques. La plataforma proporciona accés integrat a equips d'última generació i suport especialitzat per a l'anàlisi de sistemes cel·lulars complexos amb resolució de cèl·lula única, reforçant les capacitats de l'institut en recerca biomèdica i translacional.

NOVES ALIANCES TECNOLÒGIQUES PER ENFORTIR LA INFRAESTRUCTURA DE RECERCA

Es van establir noves col·laboracions amb proveïdors tecnològics líders per desplegar equips d'avantguarda i codesenvolupar aplicacions innovadores en múltiples plataformes científiques. La Unitat de Citometria de Flux es va associar amb Becton Dickinson Biosciences i ThermoFisher Scientific per instal·lar dues noves plataformes de citometria espectral, mentre que Element Biosciences va desplegar la seva última plataforma de seqüenciació Aviti24 a la Unitat de Genòmica amb accés per a la comunitat investigadora

en general. La Unitat de Proteòmica també es va associar amb ThermoFisher Scientific per avançar en aplicacions de proteòmica de cèl·lula única, reforçant les capacitats tecnològiques del CRG en genòmica, proteòmica i investigació de cèl·lula única.

COL·LABORACIÓ AMB SANT JOAN DE DÉU PER AVANÇAR EN EL DIAGNÒSTIC DE MALALTIES RARES

El CRG va enfortir la seva col·laboració amb la Fundació Sant Joan de Déu (FSJD) i l'Hospital Sant Joan de Déu (HSJD) mitjançant una iniciativa conjunta centrada en malalties rares pediàtriques i diagnòstics genòmics avançats. Com a part de l'acord, es va transferir al CRG la plataforma de seqüenciació de lectura llarga PacBio REVIO per donar suport a la investigació clínica i translacional. La col·laboració també va incloure la participació de les Unitats de Genòmica i Bioinformàtica del CRG en el primer "Úniques Hackathon", aportant experiència en seqüenciació i anàlisi per ajudar a diagnosticar pacients pediàtrics amb presumptes malalties rares que no tinguin confirmació genètica.

BENVINGUDES I COMIATS

Després d'anys d'importantes contribucions en biologia cel·lular quantitativa i del desenvolupament, Verena Ruprecht va deixar el CRG per continuar la seva recerca a la Universitat d'Innsbruck, a Àustria.

Luis-Carlos Tábara es va incorporar al CRG com a nou líder de grup per investigar com es regulen la dinàmica mitocondrial i el nombre de còpies de l'ADN mitocondrial (ADNmt), i com la seva alteració contribueix a l'envelliment i a diverses malalties. Mitjançant l'ús de diferents tècniques, el seu laboratori busca descobrir els mecanismes que mantenen la salut mitocondrial i l'equilibri de l'ADNmt, amb l'objectiu d'identificar noves estratègies per prevenir o tractar malalties.

Vam donar la benvinguda a Markus Höpfler com a nou líder de grup, qui investigarà com les cèl·lules regulen la producció de proteïnes controlant l'estabilitat i degradació dels ARN missatgers (ARNm), amb especial atenció a un mecanisme emergent denominat degradació d'ARNm mediada per pèptids (PMD, per les seves sigles en anglès), en què la mateixa proteïna naixent desencadena la degradació de l'ARNm que s'està traduint.

Hsiu-Chuan Lin es va incorporar al CRG com a nove líder de grup per descobrir els principis que governen les decisions sobre el destí cel·lular i aplicar-los a l'enginyeria de cèl·lules humanes. Mitjançant l'estudi de diferents processos cel·lulars, el seu grup busca comprendre i controlar amb precisió els canvis en la identitat cel·lular, permetent la generació de diversos tipus de cèl·lules humanes i models més precisos de la biologia i les malalties humanes.

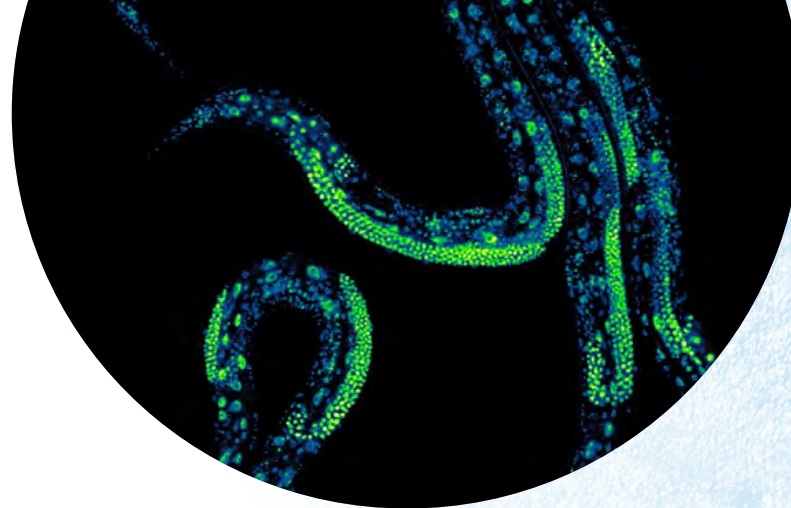
Jaume Bacardit va ser nomenat nou director administratiu, succeint Joan Vives després de la seva sortida de la institució a principis d'any. La transició marca un nou capítol en el lideratge administratiu del centre.

Destacats científics

Poden els gens del teu company de pis influir en el teu microbioma intestinal?

En un estudi amb més de 4.000 rates, el grup d'**Amelie Baud** va demostrar que el microbioma intestinal d'un animal està modelat no només pels seus propis gens, sinó també pels gens dels individus amb els quals conviu, un "efecte genètic indirecte" transmès per microbis que es desplacen entre individus. La inclusió d'aquests efectes socials va elevar la influència genètica estimada sobre certs bacteris entre quatre i vuit vegades.

La troballa revela una via oculta per la qual els gens i la vida social s'entrellacen, i ajuda a explicar part del vell enigma sobre la "falta d'heretabilitat" en els estudis del microbioma.



Una hormona vegetal permet controlar les proteïnes durant tota la vida

Nick Stroustrup i el seu equip van redissenyar el sistema de degran induïble per auxina com una eina de "doble canal" que utilitza dos desencadenants hormonals vegetals per controlar la quantitat de proteïna que roman, en quin teixit i quan. Ho van provar en més de 100.000 cucs i van descobrir que funciona fins i tot en teixits reproductius, on aquests sistemes solen fallar.

En lloc de simplement apagar les proteïnes, la tècnica permet controlar-les com qui puja o baixa el volum d'un televisor, obrint noves vies per estudiar els factors moleculars de l'envelliment i la malaltia en un animal viu complet.

Les ascendències europees esbiaixen els mapes genètics humans

Un estudi conjunt entre el BSC-CNS i el CRG (**Roderic Guigó**), que va utilitzar la seqüenciació d'ARN de lectura llarga en una cohort humana diversa, va descobrir desenes de milers de transcrits absents en mapes genètics actuals en persones d'ascendència africana, asiàtica i americana, algunes potencialment producte de gens completament nous. Molts provenien de gens ja relacionats amb lupus, asma i trets metabòlics.

El treball mostra que els mapes genètics de referència han d'incloure moltes més ascendències si la medicina de precisió vol funcionar igual de bé per a totes, i que no quedin poblacions senceres invisibles per a la recerca biomèdica.



Les 'línies d'inici' genètiques constitueixen un nou focus de mutacions

El grup de **Donate Weghorn** va descobrir que les primeres 100 lletres després del punt d'inici de la transcripció d'un gen són un 35% més propenses a patir mutacions del que es creia, un punt crític causat per l'estancació de la maquinària de transcripció i les ruptures de l'ADN durant les ràpides divisions cel·lulars just després de la concepció, fet que deixa "cicatrics" heretables al llarg del genoma.

És un descobriment poc comú d'una font completament nova de mutació en la línia germinal, amb conseqüències directes sobre com interpretem el risc de malaltia escrita en el genoma.

La IA llegeix l'arbre de la vida per detectar mutacions en malalties

Jonathan Frazer i **Mafalda Dias**, juntament amb investigadores de la Harvard Medical School, van crear popEVE, un model que aprèn sobre l'evolució a través de dades de milers d'espècies i de població humana per avaluar com n'és de perjudicial una mutació proteica, fins i tot una mai vista abans en cap persona, amb puntuacions que són finalment comparables en tot el proteoma.

L'eina pot ajudar els clínics a prioritzar per sobre de tot les variants més nocives, donant suport al diagnòstic en casos ultrarars.



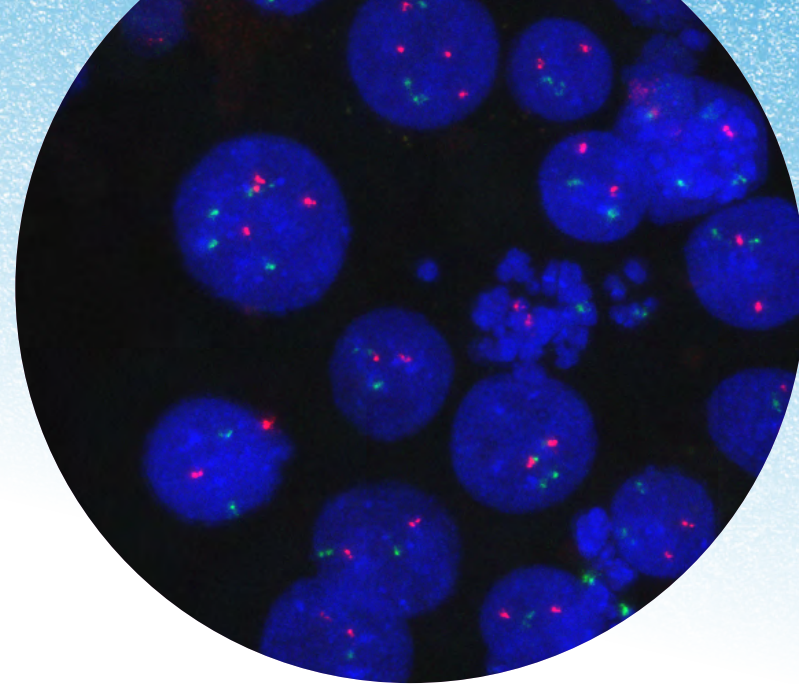
El corall que desafia la calor mediterrània gràcies a la seva dieta flexible

El grup de recerca d'**Arnau Sebé-Pedrós** va demostrar que el corall petri mediterrani sobreviu a les onades de calor marines alternant entre dues dietes. Obtenen energia d'algues simbiòtiques quan les condicions ho permeten i s'alimenten directament del plàncton quan la temperatura de l'aigua supera els 29 °C. Les comparacions entre atlas cel·lulars van revelar que aquest recurs és una habilitat antiga conservada als coralls, més que una invenció nova. L'estudi mostra com la vida marina es pot adaptar al canvi climàtic.

La IA generativa supera el disseny dels editors genòmics de la natura

En una col·laboració liderada per Integra Therapeutics i la UPF, **Noelia Ferruz** va utilitzar models de llenguatge proteic per generar transposases totalment sintètiques, és a dir, els enzims de "copiar i enganxar" que insereixen grans seqüències d'ADN en el genoma. Aquests van poder editar cèl·lules humanes de forma més eficient que els seus homòlegs naturals.

L'avanç apunta a eines millors i més ràpides per a les teràpies cel·lulars i gèniques, incloent CAR-T, que constitueixen la base dels tractaments contra el càncer i les malalties rares.



Com el limfoma reconfigura 50 gens alhora

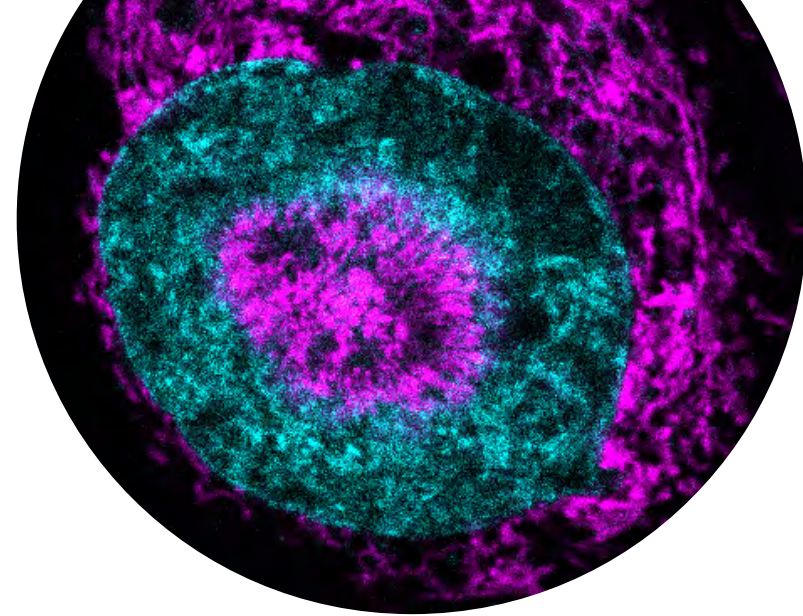
Renée Beekman va descobrir que la translocació cromosòmica típica del limfoma de cèl·lules del mantell fa molt més que alterar els gens en els seus punts de ruptura: arrossega un poderós element regulador, el potenciador d'IGH, a una nova posició on potencia l'activitat d'aproximadament 50 gens, gairebé el 7% d'un cromosoma complet, al llarg de 50 milions de lletres de l'ADN.

El descobriment amplia la recerca d'anes terapèutiques en un càncer incurable i suggereix que les cèl·lules en risc podrien detectar-se, mitjançant perfils epigenètics, abans que aparegui un limfoma.

La proteïna 'sistema GPS' del melanoma és una diana per a la metàstasi

Fàtima Gebauer va descobrir que la proteïna eIF2A no és un factor de traducció com es va assumir durant molt de temps, sinó una bastida que manté el centrosoma d'una cèl·lula de melanoma, la seva brúixola interna, correctament orientat per al moviment dirigit. En retirar-lo, es va aturar el creixement de l'esfera tumoral i es va alentir la migració, amb gairebé cap efecte en la producció de proteïnes.

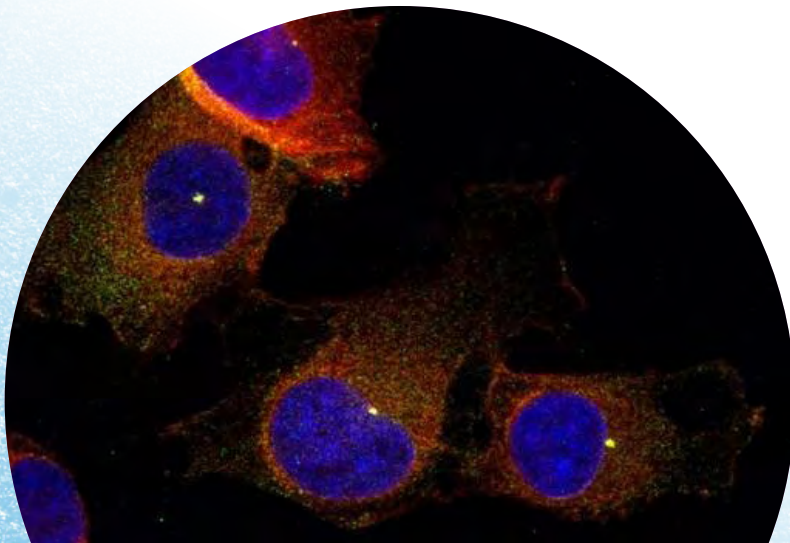
Com que les cèl·lules només es tornen dependents d'eIF2A després de tornar-se malignes, això ofereix una finestra terapèutica potencial per frenar la metàstasi mentre es preserva el teixit sa.



Les cèl·lules canceroses comprimides 's'activen' per sobreviure

Utilitzant un microscopi que comprimeix cèl·lules vives a tres micres d'ample, **Verena Ruprecht** i **Sara Sdelci** van captar mitocondries dirigint-se ràpidament a la membrana nuclear per administrar una ràpida sobrecàrrega d'ATP (observat en el 84% de les cèl·lules canceroses confinades) que els ajuda a reparar l'ADN i a suportar l'embat mecànic de tumors, vasos sanguinis i el torrent sanguini.

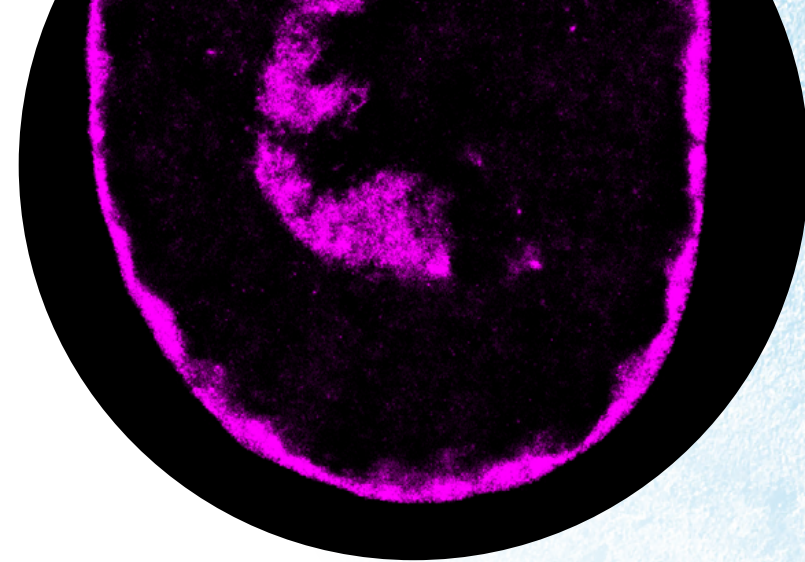
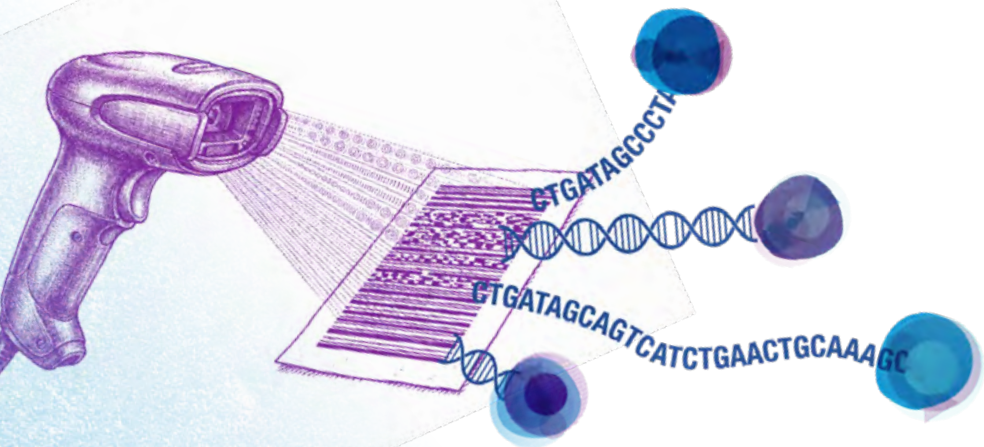
Bloquejar aquesta bastida energètica podria fer que els tumors siguin menys invasius sense intoxicar les mitocondries sanes, marcant l'estrès mecànic com una vulnerabilitat poc explorada del càncer.



La 'relectura' del genoma duplica la variació estructural coneguda

En dos articles consecutius codirigits amb l'EMBL i la Universitat Heinrich Heine de Düsseldorf, **Bernardo Rodríguez-Martín** va utilitzar la seqüenciació de lectura llarga per rellegir 1.019 genomes de 26 poblacions, catalogant més de 167.000 grans variants estructurals i duplicant la variació estructural coneguda en el pangenoma humà. Més de la meitat de les insercions mai s'havien reportat abans.

El treball suposa un pas important per passar d'un genoma "estàndard" únic cap a un veritable pangenoma humà, més adequat per a la medicina personalitzada i molt menys esbiaixat cap a l'ascendència europea.



El virus de l'herpes reddecora el genoma humà en 3D

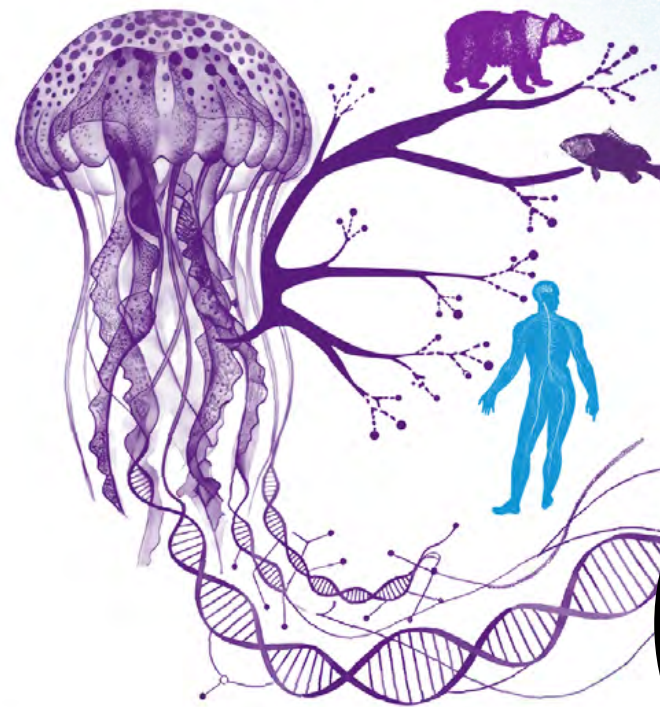
Combinant la microscòpia de superresolució amb Hi-C, **Pia Cosma** va demostrar que, en menys d'una hora després de la infecció, el virus de l'herpes simple-1 segresta l'ARN polimerasa de l'hoste, la topoisomerasa I i la cohesina, compactant el genoma humà i plegant-lo per assolir els gens que necessita. És la primera prova que el virus remodela deliberadament l'arquitectura del nostre ADN.

De forma crucial, el bloqueig d'un únic enzim de l'hoste, la topoisomerasa I, va aturar la presa de control abans que el virus pogués crear una sola partícula nova, cosa que podria suposar una potencial i nova forma de combatre un virus que porten uns quatre mil milions de persones, sense cura i amb creixent resistència als fàrmacs.

Els 'codis de barres' de l'ADN revelen com envelleix la nostra sang

Lars Velten, juntament amb l'IRB Barcelona, va desenvolupar EPI-Clone, que llegeix "codis de barres" de metilació naturals per traçar famílies de cèl·lules mare sanguínies sense enginyeria genètica, a través de 230.000 cèl·lules úniques de ratolins i persones. Es va revelar que la sang envellida perd diversitat a mesura que alguns clons propensos a la inflamació prenen el control, un canvi detectable a partir dels 50 anys i gairebé universal als 60.

Atès que molts clons dominants no porten mutació coneguda en el càncer, l'estudi replanteja la presa de control clonal com una característica general de l'envelliment i assenyalava una forma de detectar l'envelliment sanguini poc saludable anys abans que aparegui la malaltia.



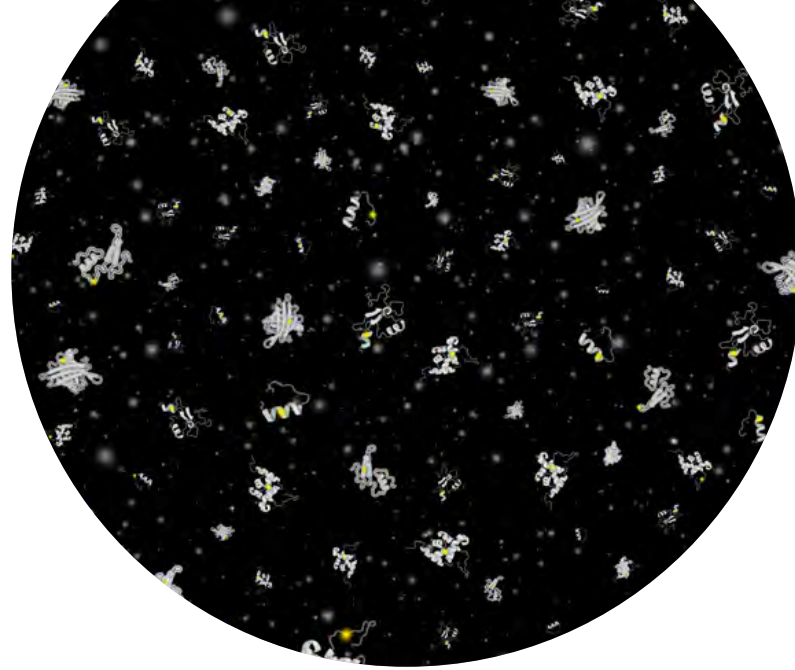
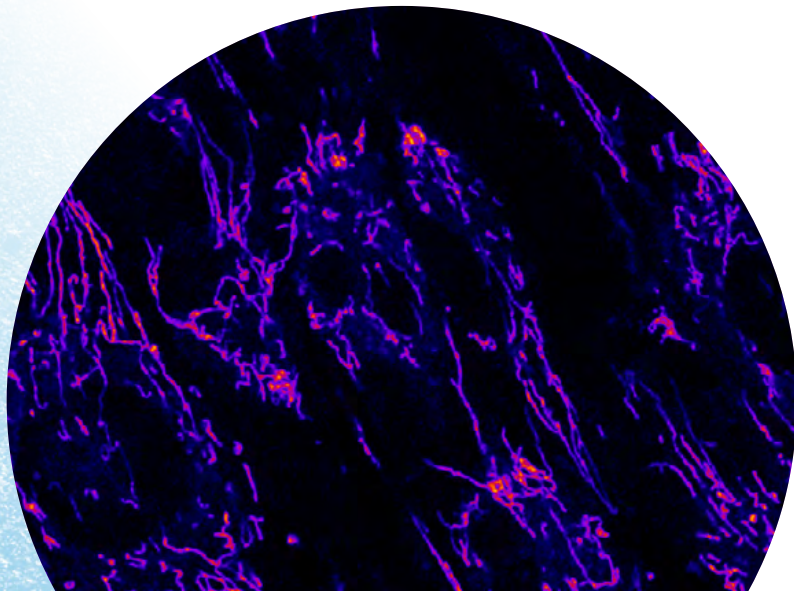
Les nous de mar fan retrocedir el control genòmic 150 milions d'anys

Un estudi del CRG i del CNAG dirigit per **Arnau Sebé-Pedrós** i **Marc A. Martí-Renom**, la primera autora del qual és **Iana Kim**, va utilitzar el mapat genòmic 3D de nous de mar, esponges, placozous i cnidaris per mostrar que el control genètic a llarga distància va evolucionar fa entre 650 i 700 milions d'anys, uns 150 milions d'anys abans del que es creia.

Aquesta capa reguladora addicional probablement va permetre als primers animals construir teixits especialitzats sense inventar nous gens, reutilitzant el seu conjunt d'eines genètiques "com una navalla suïssa".

La proteïna 'llançadora de greix' explica crisis infantils rares

Amb motiu del Dia Internacional de les Malalties Rares, el grup de **Vivek Malhotra** va demostrar que la proteïna TANGO2 s'uneix i transporta molècules de greix acil-CoA dins de les cèl·lules, preparant-les per a la seva combustió i obtenció d'energia. En nens amb Trastorn per Deficiència TANGO2, aquest mecanisme falla, cosa que priva les cèl·lules de greixos utilitzables i desencadena crisis metabòliques potencialment mortals. Aquesta informació podria refinar el diagnòstic i endegar teràpies específiques per al trastorn, a més d'aclarir també afeccions comunes cardíques, musculars i del metabolisme del greix.



El 'dominioma' culpa les proteïnes inestables de les malalties hereditàries

Ben Lehner va desenvolupar el Dominioma Humà 1 — més de mig milió de mutacions en 522 dominis proteics, el major catàleg d'aquest tipus fins ara. Va revelar que la majoria de les anomenades mutacions amb canvi de sentit causants de malalties funcionen simplement fent que les proteïnes siguin menys estables. Per exemple, el 72% de les mutacions de cataractes analitzades van desestabilitzar la proteïna cristallina del cristallí. El catàleg explica a nivell molecular per què petits canvis genètics causen malalties hereditàries neurològiques, del desenvolupament i musculars.

Recerca i serveis científics



PROGRAMA DE BIOLOGIA COMPUTACIONAL I GENÒMICA DE LA SALUT

Coordinador: **Jorge Ferrer**

El 2025, el Programa de Biologia Computacional i Genòmica de la Salut va seguir centrat a comprendre els genomes com a sistemes reguladors dinàmics que ens permeten desxifrar l'evolució, el desenvolupament i la malaltia. Una fita significativa va ser l'arribada de Hsiu-Chuan Lin i el seu grup de Decodificació i Enginyeria de la Destinació Cel·lular, que es van unir al Programa amb el suport d'una ajuda de la Fundació 'la Caixa' i d'una ajuda ERC Starting Grant. La seva arribada també va catalitzar una nova iniciativa del Programa per desenvolupar models fonamentals capaços de predir els efectes cel·lulars de perturbacions genòmiques que fins aleshores havien passat desapercubudes, liderada pels laboratoris Dias, Frazer, Lin i Velten.

L'any va estar marcat per la publicació d'una sèrie d'estudis de gran impacte. El laboratori de Velten va demostrar que

les mutacions espontànies de metilació de l'ADN poden servir com a codis de barres naturals per rastrejar expansions cel·lulars clonals en humans, una troballa amb àmplies implicacions per a l'envelliment i les malalties (Scherer, *Nature* 2025). El grup també va descobrir nous principis que regeixen la programació transcripcional de les línies cel·lulars sanguínies (Fromel, *Cell* 2025). El laboratori de Ferrer va identificar programes defectuosos de transcripció i empalmament com a lesions moleculars centrals en la diabetis tipus 2, proporcionant una possible via terapèutica per a la malaltia (Bernardo *et al.*, *Cell Metab* 2025). El laboratori de Rodríguez-Martín va co-liderar la construcció d'un recurs emblemàtic sobre la variació estructural humana, utilitzant tecnologies de seqüenciació de lectura llarga per traçar la diversitat genòmica (Schloissnig *et al.*, *Nature* 2025). D'altra banda, el laboratori de Weghorn va

esclarir un mecanisme mutacional no identificat amb anterioritat subjacent en trastorns hereditaris (Cortés Guzmán, *Nat Commun* 2025). Per últim, Dias i Frazer desenvoluparen una metodologia d'aprenentatge profund per als processos de diagnòstic, capaç de predir quines mutacions rares tenen més probabilitats de causar malalties humanes (Orenbuch *et al.*, *Nat Genet* 2025), i estan implementant enfocaments anàlegs en entorns reals, entre ells SENEENE, una iniciativa de diagnòstic de malalties rares a Senegal.

En conjunt, les fites de 2025 van reflectir l'amplitud i ambició del Programa, demostrant com les noves tecnologies i els descobriments fonamentals en l'arquitectura del genoma, la funció i la destinació cel·lular poden impulsar el progrés en la comprensió de les malalties humanes.



PROGRAMA DE BIOLOGIA CEL·LULAR QUANTITATIVA

Co-coordinadors: **Isabelle Vernos i Thomas Surrey**

El Programa de Biologia Cel·lular Quantitativa investiga els mecanismes moleculars subjacents a l'organització interna de les cèl·lules, la divisió cel·lular i el desenvolupament primerenc. La recerca dins del programa se centra en la naturalesa dinàmica dels processos intracel·lulars, que s'estudien mitjançant la imatge de cèl·lules vives en combinació amb una varietat d'altres mètodes, incloent-hi la genètica, la bioquímica, les tecnologies òmiques i la modelització matemàtica.

El 2025, la cap de grup júnior, Verena Ruprecht, va traslladar el seu laboratori (Dinàmica Cel·lular i Tisular) a la Universitat d'Innsbruck, on va obtenir una posició com a professora titular. Luis Carlos Tabara Rodríguez es va incorporar al departament com a cap de grup júnior des de la Universitat de Cambridge (Regne Unit) per establir el seu nou laboratori (Dinàmica Mitocondrial).

El departament va publicar diversos articles. Entre d'altres, el laboratori de Malhotra (Compartimentació Intracel·lular) va caracteritzar una nova proteïna d'unió a acil-CoA, suggerint noves vies per abordar miocardiopaties (Lujan, *J Cell Biol* 2025). El laboratori de Böke (Biologia dels Oòcits i Latència Cel·lular) va presentar el primer estudi a gran escala que va caracteritzar la reducció de l'activitat d'òrgànuls en ovòcits humans (Zaffagnini, *EMBO J* 2025). El laboratori de Ruprecht, en col·laboració amb el laboratori de Sdelci del Programa de Biologia del Genoma, va descobrir que un augment en els nivells d'ATP en el nucli cel·lular ajuda a reparar el dany en l'ADN durant l'estrès mecànic (Ghose, *Nat Commun* 2025). El laboratori de Surrey (Autoorganització Intracel·lular) va aportar noves perspectives sobre com la proteïna motora dineïna organitza els fusos mitòtics durant la divisió cel·lular (Colombo, *J Cell Biol* 2025; Chew, *PNAS* 2025).



PROGRAMA DE BIOLOGIA DEL GENOMA

Co-coordinadors: **Fátima Gebauer**
i Luciano Di Croce

El Programa de Biologia del Genoma se centra a investigar els mecanismes que regulen l'expressió del genoma durant l'homeòstasi, la reprogramació cel·lular i les malalties. Utilitzem tecnologies òmiques quantitatives, modelatge matemàtic, biologia cel·lular i genètica murina per comprendre l'organització de la cromatina, la transcripció, l'empalmament, la traducció i degradació d'ARNm, i la modificació de l'ARN. Els mecanismes que controlen l'expressió gènica s'estudien en el context d'una varietat de malalties, incloent-hi el càncer (leucèmia, limfoma, adenocarcinomes pancreàtics i pulmonars, gliomes, melanoma i càncer de mama).

Els grups de regulació de la cromatina estudien els mecanismes epigenètics en càncer i cèl·lules mare (Luciano Di Croce), l'epigenòmica unicel·lular en limfomes (Renée Beekman), l'organització del genoma 3D (Marc Martí-Renom, investigador principal al CNAG amb doble afiliació associada al Programa) i la regulació epigenètica del meta-

bolisme del càncer (Sara Sdelci). Els grups de biologia de l'ARN estudien la identificació i regulació de modificacions de l'ARN (Eva Novoa), l'empalmament alternatiu (Juan Valcárcel), la traducció d'ARNm (Fátima Gebauer) i l'estabilitat de l'ARNm (Markus Hopfler).

El 2025, Juan Valcárcel, en col·laboració amb Ben Lehner, va utilitzar la mutagènesi de saturació per revelar l'arquitectura reguladora d'exons amb tall i empalmament alternatius i va rebre el Premi Carmen i Severo Ochoa. Fátima Gebauer va descobrir noves funcions no canòniques dels factors de traducció en la migració de cèl·lules canceroses. Luciano Di Croce va demostrar que el factor associat a PRC2 EPOP és necessari per a una correcta regulació del gen Hox i el desenvolupament axial de l'esquelet en ratolins, i va rebre suport de WWCER per estudiar tumors cerebrals pediàtrics. Eva Novoa va revelar que l'empremta epitranscriptòmica de l'ARNr pot utilitzar-se per identificar el teixit d'origen dels tumors, i va obtenir una ajuda

ERC Proof of Concept per al diagnòstic del càncer. Sara Sdelci va descobrir que el confinament mecànic modula el contingut de l'ATP nuclear, amb conseqüències per a la proliferació cel·lular; va rebre el reconeixement del Programa de Joves Investigadors EMBO (YIP), va ser guardonada en els Premis Argonauta de la Fundació Pharmamar, en la categoria Millor Investigadora Jove; i va llançar una Xarxa Doctoral d'Accions Marie Skłodowska-Curie (MSCA). Renée Beekman va descobrir que les translocacions cromosòmiques poden impulsar canvis en l'expressió gènica al llarg dels braços cromosòmics, i va ser guardonada amb la beca XXIX FERO per a joves investigadors. En treballs col·laboratius, Marc Martí-Renom va descobrir que els bucles de cromatina són una característica reguladora ancestral a tot el regne animal. Susana de la Lluna es va traslladar a l'IDIBAPS. Markus Hopfler va ser reclutat per al Programa com a cap de grup júnior i va rebre una ajuda ERC Starting Grant.



PROGRAMA DE BIOLOGIA SINTÈTICA I DE SISTEMES

Coordinadora: **Pia Cosma**

El Programa de Biologia Sintètica i de Sistemes abasta múltiples sistemes i escales biològiques, des de microbis fins a òrgans i organismes complets, i des d'espècies no model fins a genètica humana, evolució, neurociència i envelliment, per abordar qüestions biològiques fonamentals a través d'un marc comú. Busquem explicar, predir i dissenyar sistemes biològics que sustenten la funció cel·lular, tissular i dels òrgans. El programa té com a objectiu descobrir els fonaments de la vida transformant la biologia molecular, cel·lular i de sistemes en una ciència d'enginyeria quantitativa i predictiva. El 2025, el Programa va continuar combinant la generació de dades quantitatives a gran escala amb modelatge i aprenentatge automàtic per fer la biologia molecular més predictiva i programable, incloent-hi el Barcelona Collaboratorium for Modelling and Predictive Biology, una iniciativa conjunta del CRG amb l'EMBL Barcelona.

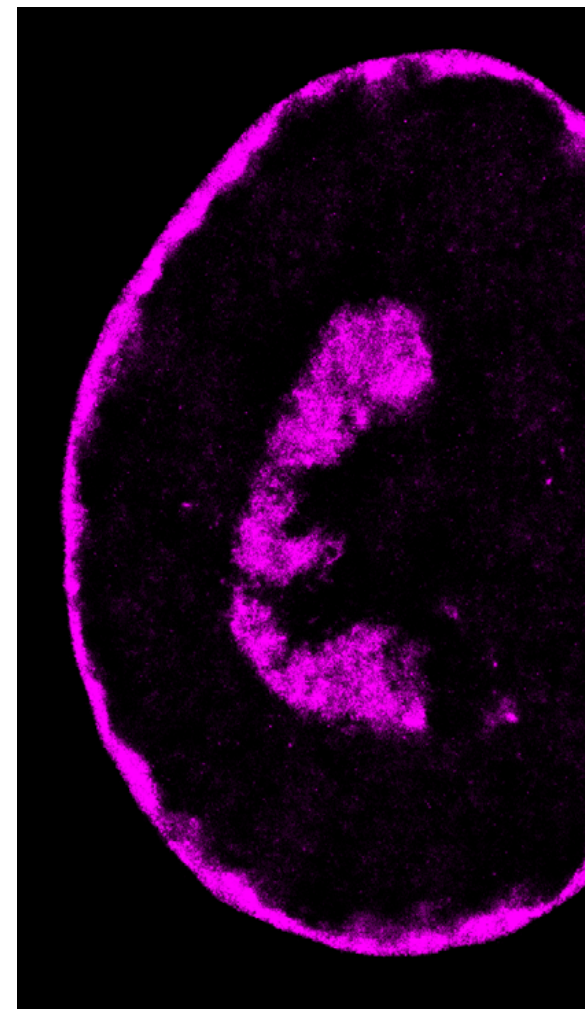
Diverses fites importants van marcar el 2025. El grup de Nick Stroustrup va desenvolupar un sistema de degon induïble per auxina que permet el control ajustable *in vivo* de la fisiologia de l'organisme, proporcionant una nova forma de manipular els nivells de proteïnes i disseccionar els mecanismes moleculars de l'envelliment i la malaltia (Vicencio *et al.*, *Nature Communications*, 2025). El grup d'Amélie Baud va demostrar que el microbioma intestinal està modelat no només pels mateixos gens de cada individu, sinó també pels gens dels seus socis socials, revelant una dimensió social de la genètica hoste-microbioma (Baud *et al.*, *Nature Communications*, 2025). El grup de Ben Lehner va avançar encara més en la nostra comprensió de l'evolució i el disseny de proteïnes en mostrar com la genètica, l'energètica i l'al·lostèria interactuen en proteïnes amb nuclis i superfícies aleatoritzades, la qual cosa reforça l'objectiu més ampli del Programa que consisteix a desenvolupar la biologia predictiva (Escobedo *et al.*, *Science*, 2025). El grup de Luis Serrano va elaborar un mapa

d'essencialitat complet d'un organisme viu. Utilitzant *Mycoplasma pneumoniae*, van definir quins elements genòmics són necessaris, tolerats o prescindibles en una cèl·lula viva mínima (Miravet-Verde *et al.*, *Molecular Systems Biology*, 2025). El grup de Mara Dierssen va continuar impulsant l'enfocament sistèmic del Programa en neurociència, centrant-se en la neurobiologia de l'aprenentatge i la memòria i la seva pertorbació en trastorns cerebrals, incloent-hi la discapacitat intel·lectual i la síndrome de Down (Fernández-Blanco *et al.*, *Cells*, 2025).

El Programa també va contribuir a avenços en enginyeria de proteïnes guiada per IA, genòmica evolutiva i biologia hoste-patogen. Noelia Ferruz va ser coautora d'un estudi de *Nature Biotechnology* sobre el descobriment i disseny guiats per models de llenguatge proteic de transposases hiperactives, demostrant el potencial dels enfocaments generatius per ampliar les eines d'enginyeria genòmica (Ivančić *et al.*, *Nature Biotechnology*, 2025). El grup d'Arnau Sebé-Pedrós va utilitzar la genòmica comparada i els atlas unicel·lulars per investigar la base genòmica i cel·lular de la simbiosi facultativa al corall mediterrani termotolerant *Oculina patagonica*. El seu treball va esclarir els mecanismes que permeten que alguns coralls sobrevisquin a prolongats fenòmens d'emblanquiment (Levy, Grau-Bové *et al.*, *Nature*, 2025). El grup de Pia Cosma va mostrar com l'HSV-1 reconfigura l'arquitectura de la cromatina de l'hoste durant la infecció lítica en segrestar la maquinària transcripcional i formar contactes entre els genomes virals i de l'hoste (González-Almela *et al.*, *Nature Communications*, 2025). Nora Martin va continuar enfortint les activitats de modelització i biologia predictiva com a Independent Fellow del Collaboratorium de Barcelona, desenvolupant models quantitius d'evolució, mapes genotip-fenotip i paisatges adaptatius, i contribuint a l'esforç més ampli del Programa per connectar la comprensió biològica mecanicista amb la modelització predictiva. Eric Latorre es va unir al Programa com a Independent Fellow del Barcelo-

na Collaboratorium per desenvolupar models matemàtics i computacionals de l'envelliment cel·lular, combinant la modelització amb el disseny experimental per investigar els mecanismes de l'envelliment i els seus vincles amb malalties relacionades amb l'edat.

El Programa també va rebre un important reconeixement públic i finançament. Arnau Sebé-Pedrós va ser guardonat amb el Premi Nacional de Recerca per a Joves Científics 2025 – Margarita Salas en Biologia, en reconeixement al seu treball en genòmica comparada, biologia evolutiva i els orígens dels tipus cel·lulars animals. Luis Serrano va rebre el Premi Nacional d'Innovació i Disseny 2025 en la categoria de Carrera Innovadora, el màxim reconeixement nacional pel seu lideratge científic i empresarial en I&D, destacant les seves contribucions a la biologia de sistemes, el disseny de proteïnes, la transferència tecnològica i la creació de spin-offs. També va rebre el Premi Nacional de Recerca de Catalunya 2025, que reconeix la seva carrera pionera i les seves contribucions a la biologia de sistemes i sintètica. Nick Stroustrup va rebre una beca de la Fundació BBVA per a un projecte destinat a aclarir els mecanismes moleculars causals de l'envelliment. Mara Dierssen manté un fort perfil de participació pública i forma part del consorci VITA, que va ser seleccionat com a semifinalista en el concurs XPRIZE Healthspan en 2025.





PROGRAMA DE TECNOLOGIES FONAMENTALS

Cap: **Mònica Morales**

El Programa de Tecnologies Fonamentals inclou set Unitats Tecnològiques que proporcionen als investigadors tecnologies i coneixements d'última generació per avançar en la seva recerca. El Programa és membre de la *Core Facilities Excellence Alliance, Core for Life* (www.coreforlife.eu).

El 2025, el Programa va signar acords amb diversos proveïdors tecnològics, fet que va permetre la instal·lació d'equips d'avantguarda en múltiples Unitats i al desenvolupament conjunt de noves aplicacions en els seus respectius camps. En particular, la Unitat de Citometria de Flux va establir col·laboracions amb Becton Dickinson Biosciences i Thermo Fisher Scientific, fet que va permetre la instal·lació de dues noves plataformes de citometria espectral. Element Biosciences va instal·lar la seva última plataforma de seqüenciació, Aviti24, a la Unitat de Genòmica permetent l'accés a aquesta tecnologia a la comunitat investigadora en general, i la Unitat de Proteòmica es

va associar amb Thermo Fisher Scientific per codesenvolupar aplicacions de proteòmica unicel·lular.

Durant aquest període, el Programa va aconseguir finançament amb èxit a través del programa regional espanyol FEDER per a l'adquisició de quatre instruments nous, enfortint les Unitats de Tecnologies de Proteïnes, Citometria de Flux, Genòmica i Microscòpia Òptica Avançada. Els equips per a les Unitats de Genòmica i Microscòpia Òptica Avançada es van adquirir el 2025, mentre que els instruments restants seran adquirits i instal·lats a les unitats corresponents el 2026.

La nova Plataforma Transversal de Cèl·lula Única va començar a oferir serveis el 2025 i ja ha lliurat més de 100 serveis integrats tant a usuaris interns com externs. Actualment s'estan duent a terme esforços per integrar la Unitat de Proteòmica a la plataforma, permetent la prestació de

serveis de proteòmica unicel·lular i serveis de multiòmica totalment integrats per als usuaris finals. Paral·lelament, la plataforma ha introduït serveis de transcriptòmica espacial amb resolució de cèl·lula única, per als quals la demanda està augmentant de forma constant.

A més, la innovació ha continuat essent una prioritat estratègica en tot el Programa. Diverses Unitats han aconseguit ajudes de col·laboració públicoprivada, així com finançament procedent de consorcis europeus, per donar suport al desenvolupament i implementació de tecnologies emergents.



ARXIU EUROPEU DEL GENOMA-FENOMA (EGA)

Director: **Arcadi Navarro**

Cap de l'equip: **Jordi Rambla**

L'Arxiu Europeu del Genoma-Fenoma (EGA), gestionat conjuntament pel Centre de Regulació Genòmica (CRG) i l'Institut Europeu de Bioinformàtica (EMBL-EBI), en col·laboració amb el Barcelona Supercomputing Center (BSC-CNS), és un repositori global segur de dades genòmiques i fenotípiques humanes. Reconegut com la referència mundial per compartir dades personals identificables, EGA ofereix serveis essencials per a l'arxiu, el descobriment i l'accés de dades, d'acord amb els principis FAIR, a investigadors/es de tot el món.

Durant el 2025, EGA va arxivar i va posar a disposició per a la seva reutilització 926 nous conjunts de dades i va distribuir 2.698 conjunts de dades a científics/ques per donar suport a la seva recerca. A finals d'any, el volum total de dades arxivades havia superat els 20 PB, i l'equip de *Helpdesk* havia respost a més de 5.000 sol·licituds d'investigadors/es.

L'equip EGA del CRG, ara format per 24 professionals multidisciplinaris, ha col·laborat la Xarxa EGA Federada des del 2022, permetent un intercanvi segur de dades genòmiques transfrontereres. El 2025, la xarxa incloïa nou nodes nacionals, entre ells Canadà i Suïssa. La tecnologia que sustenta aquesta xarxa va ser desenvolupada per l'equip del CRG.

El 2025, l'equip va completar tres projectes col·laboratius i en va llançar cinc de nous, contribuint a una cartera de 16 ajuts competitius actius. L'equip EGA del CRG també lidera el desenvolupament global de Beacon, una tecnologia de descobriment de dades genòmiques. L'equip també va brindar el seu suport a 43 instàncies de Beacon a 13 països només durant el 2025, va desenvolupar noves eines i va desplegar el Global Beacon Atlas.

Distincions i premis



Professora
d'Investigació ICREA

Eva Novoa



XXIX Beca
FERO per Joves
Investigadors,
Fundació FERO

Renée Beekman



Professora
d'Investigació ICREA

Elvan Böke



Premi Nacional de
Recerca 2025

Luis Serrano



EMBO Young
Investigator

Sara Sdelci



Presidenta de la
RNA Society

Fátima Gebauer



Premi Nacional de
Recerca per a Joves
Científics -
Margarita Salas
en Biologia (2025)

Arnau Sebé-Pedrós



Premi Nacional
d'Innovació i Disseny,
categoria Trajectòria
Innovadora (2025)

Luis Serrano



Millor Investigadora
Jove, Premis
Argonauta, Fundació
Pharmamar

Sara Sdelci



FEBS Excellence
Award

Noelia Ferruz



XXX Premi Carmen
i Severo Ochoa de Recerca
en Biologia Molecular,
Fundació Carmen
i Severo Ochoa

Juan Valcárcel

Investigadors/es ERC al CRG *



STARTING GRANTS



Arnau
Sebé-Pedrós



Nicholas
Stroustrup



Sara Sdelci



Renée
Beekman



Hsiu-Chuan
Lin



Luis Serrano



Lars Velten



Eva Novoa



Noelia Ferruz



Markus Höpfler



Ben Lehner

* Projectes actius o finalitzats durant el 2025

CONSOLIDATOR GRANTS



Elvan Böke



Arnau Sebé-Pedrós

SYNERGY GRANTS



Verena Ruprecht



Juan Valcárcel



Vivek Malhotra



Thomas Surrey

PROOF OF CONCEPT GRANTS



Luis Serrano



Ben Lehner (2)



Jorge Ferrer



Eva Novoa

Dades i xifres

Publicacions

201

Publicacions Totals

89%

Publicacions en Accés Obert

81%

Publicacions 1r Quartil

14,0

Mitjana Factor d'Impacte

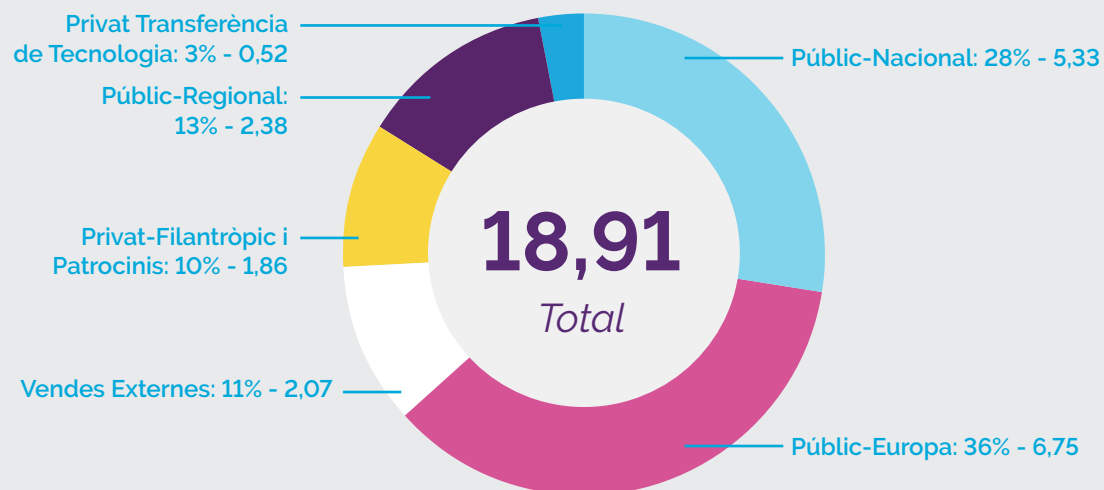
Finançament (M€)

42,5

Pressupost Total

FINANÇAMENT EXTERN CONCEDIT EL 2025

Nota: Aquest gràfic inclou els fons competitius aconseguits durant el 2025 i pendents de resolució final o del conveni de l'ajut a 31/12/2025.



Projectes

152

*Projectes i Xarxes
Actius Totals*

19

*són projectes ERC
actius*

13

*són projectes
coordinats actius*

29

*són altres projectes de
recerca i xarxes H2020 i
Horitzó Europa actius*

11

*són projectes de recerca
internacionals actius (no CE)*

24

*Ajuts Postdoctorals
Actius Totals*

Personal

462,85*

Total EJC*

476

Total

* EJC, equivalent jornada completa

Programes de Recerca

297,26*

Total EJC*

307

Total

Serveis Científicotècnics

66,90*

Total EJC*

68

Total

Administració i Suport a la Recerca

98,70*

Total EJC*

101

Total

Grups de Recerca (a 31 de desembre de 2025)

34

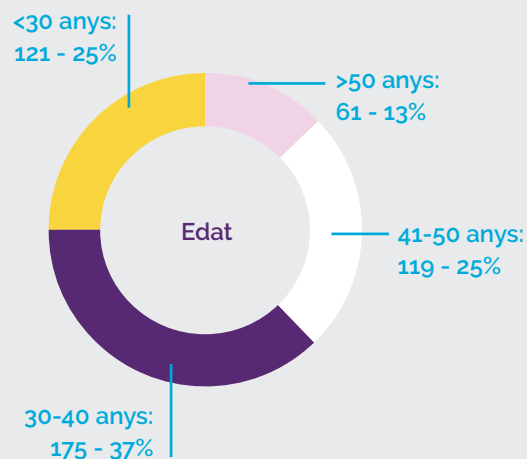
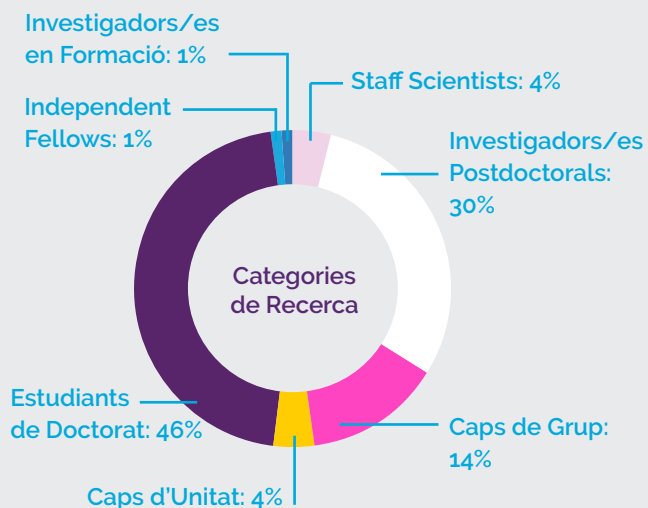
Total

32

CRG

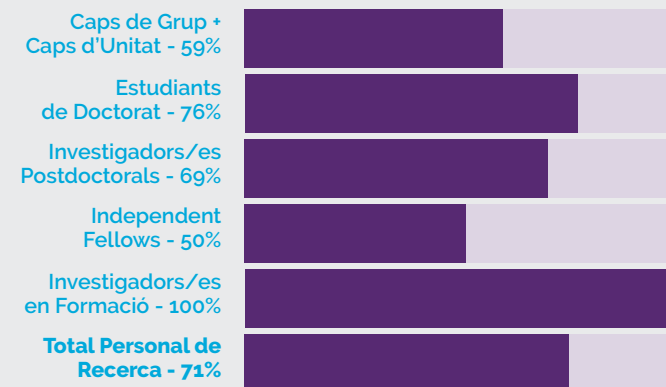
2

Doble afiliació



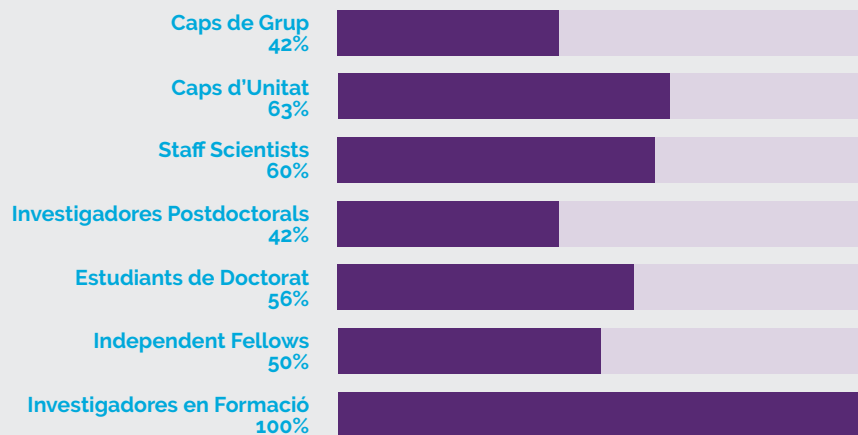
Internacionalitat

47 nacionalitats representades

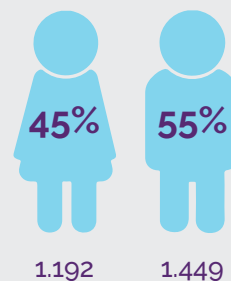


Gènere

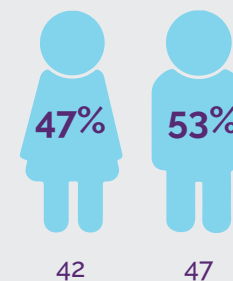
% Dones per Categories Professionals



Sol·licitants en Processos de Selecció



Candidats/es Seleccionats/des en Processos de Selecció



% Dones Ponents Convidades



Formació avançada

Tesis Doctorals llegides

24

Courses@CRG / EMBO Workshops

2 cursos
internacionals
43 participants

Cursos Competències Científiques i Cursos Recerca Responsable

48 cursos interns
734 participants

Cursos Competències Transferibles i Innovació

18 cursos interns
328 participants

Activitats Formatives de Desenvolupament Professional

8 cursos interns
121 participants

Cursos d'Idiomes (CA, ES, EN)

29 cursos interns
189 participants

Esdeveniments

10

Conferències
Internacionals

65

Seminaris
d'Alt Nivell

Desenvolupament de tecnologia i negoci

7

Empreses
Emergents
(Spin-offs)

27

Projectes de
Valorització Actius

31

Famílies de Patents
Actives

14

Invençions
Reportades

7

Acords de Serveis,
Collaboracions
Científiques i
Llicències

186

Altres Acords

Comunicació, divulgació i educació científiques

RELACIONS AMB ELS MITJANS

2.149

Aparicions en Mitjans

239

Escrits

1.837

Online

51

Ràdio

22

TV

XARXES SOCIALS (a 31 de desembre de 2025)

YouTube

335.796

Visualitzacions del canal

Facebook

5.003

M'agrada

2.403

Subscriptors

4.995

Seguidors

Seguidors Instagram

2.564

Seguidors Bluesky

2.931

Seguidors LinkedIn

37.347

DIVULGACIÓ I EDUCACIÓ CIENTÍFIQUES

81

Número d'Activitats
Organitzades

24.675

Públic Beneficiari Total

1.970

Estudiants

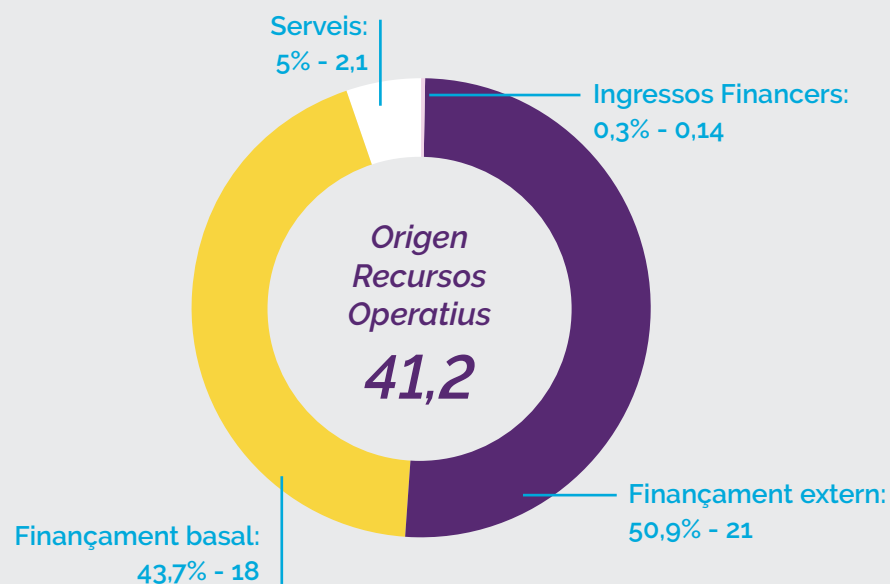
22.705

Públic General

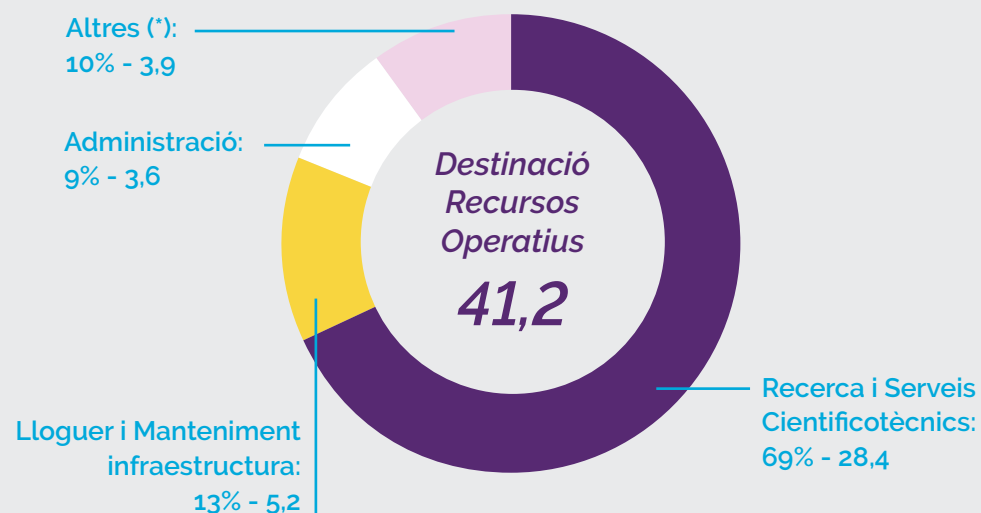
Informe financer

ORIGEN I DESTINACIÓ DELS RECURSOS OPERATIUS

Origen recursos operatius en M€



Destinació recursos operatius en M€



(*) Altres inclou: Grup Director + SaF + TBDO + TAO + Pre-award + Comunicació + 74,5k€ de despeses financeres

Agraïments

PATRONAT



El suport dels nostres patrons i finançadors públics i privats és clau per a assolir la missió del CRG de cara a descobrir i fer avançar el coneixement en benefici de la societat, la salut pública i la prosperitat econòmica.

FINANÇADORS PÚBLICS



Nota: Els fons FEDER i de FSE han estat fonamentals durant tots aquests anys mitjançant diferents plans de finançament i una àmplia varietat d'activitats per tal de donar suport a les nostres investigacions i mantenir actualitzades les nostres infraestructures. Podeu consultar tots els detalls sobre els projectes cofinançats amb aquests fons a la secció [ERDF AND ESF FUNDS AT THE CRG](#) del web del CRG.

FINANÇADORS PRIVATS



PATROCINADORS





CENTRE DE REGULACIÓ GENÒMICA

Dr. Aiguader, 88
Edifici PRBB
08003 Barcelona
Tel.: +34 93 316 01 00
communications@crg.eu
www.crg.eu

© CRG 2026

REALITZAT PER:

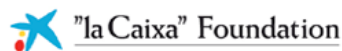
Departament de Comunicació i Relacions Públiques
Centre de Regulació Genòmica (CRG)
Dr. Aiguader, 88
08003 Barcelona, Espanya
www.crg.eu

TEXT I GRÀFICS:

Científics/ques del CRG, Membres de l'Equip
d'Administració i Suport a la Recerca del CRG, Departament
de Comunicació i Relacions Públiques del CRG



MEMBRES DEL PATRONAT:



MEMBRE DE:



DISSENY GRÀFIC:

Ondeuev Comunicació S.L.

FOTOGRAFIA:

Ivan Martí

ILLUSTRACIONS:

Marta Solano